# (12) DEMANDE INTERNATIONALE PUBLIÉE EN VERTU DU TRAITÉ DE COOPÉRATION EN MATIÈRE DE BREVETS (PCT)

#### (19) Organisation Mondiale de la Propriété Intellectuelle

Bureau international



# 

(43) Date de la publication internationale 27 février 2003 (27.02.2003)

**PCT** 

(10) Numéro de publication internationale WO 03/016563 A2

- (51) Classification internationale des brevets<sup>7</sup>: C12Q 1/68, A61K 31/708, 31/519, 31/437, A61P 25/28, 9/10, 37/00
- (21) Numéro de la demande internationale : PCT/FR02/02861
- (22) Date de dépôt international: 13 août 2002 (13.08.2002)
- (25) Langue de dépôt :

français

(26) Langue de publication :

français

(30) Données relatives à la priorité : 01/10819 14 août 2001 (14.08.2001) FI

(63) Apparenté(e) par continuation (CON) ou par continuation partielle (CIP) à une demande antérieure : US 09/983,754 (CIP) Déposée le Non communiquée

- (71) Déposant (pour tous les États désignés sauf US): EX-ONHIT THERAPEUTICS SA [FR/FR]; 26, rue Brunel, F-75017 Paris (FR).
- (72) Inventeurs; et
- (75) Inventeurs/Déposants (pour US seulement): AÎT IKHLEF, Ali [FR/FR]; 1, rue de l-Eglise, 91940 Gometz Le Châtel (FR). RESINK, Annelies [NL/FR]; 48, rue Bobillot, F-75013 Paris (FR). SCHWEIGHOFFER, Fabien [FR/FR]; 38, avenue Paul Déroulède, F-94300 Vincennes (FR).

- (74) Mandataires: BECKER, Philippe etc.; Cabinet Becker et Associés, 35, rue des Mathurins, F-75008 Paris (FR).
- (81) États désignés (national): AE, AG, AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DK, DM, DZ, EC. EE, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KP, KR, KZ, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LV, MA, MD, MG, MK, MN, MW, MX, MZ, NO, NZ, OM, PH. PL, PT. RO, RU, SD, SE, SG, SI. SK. SL, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ, VC, VN, YU, ZA, ZM, ZW.
- (84) États désignés (régional): brevet ARIPO (GH. GM, KE. LS. MW, MZ, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), brevet eurasien (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), brevet européen (AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE, SK, TR). brevet OAPI (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG).

#### Déclaration en vertu de la règle 4.17 :

 relative à la qualité d'inventeur (règle 4.17.iv)) pour US seulement

#### Publiée:

 sans rapport de recherche internationale, sera republiée dès réception de ce rapport

En ce qui concerne les codes à deux lettres et autres abréviations, se référer aux "Notes explicatives relatives aux codes et abréviations" figurant au début de chaque numéro ordinaire de la Gazette du PCT.

- (54) Title: NOVEL MOLECULAR TARGET FOR NEUROTOXICITY
- (54) Titre: NOUVELLE CIBLE MOLECULAIRE DE LA NEUROTOXICITE

(57) Abstract: The invention relates to the field of biology, genetics and medicine and to novel methods of detecting, characterising and/or treating (or managing) neurodegenerative pathologies, particularly amyotrophic lateral sclerosis. Said invention also relates to methods of identifying or screening active compounds in said pathologies. Moreover, the invention relates to compounds, genes, cells, plasmids or compositions that can be used to carry out the above-mentioned methods. In particular, the invention outlines the role of PDE4B in said pathologies and the use thereof as a therapeutic, diagnostic or experimental target.

(57) Abrégé: La présente invention concerne le domaine de la biologie, de la génétique et de la médecine. Elle concerne notamment de nouvelles méthodes pour la détection, la caractérisation et/ou le traitement (ou la prise en charge) de pathologies neurodégénératives, notamment de la sclérose latérale amyotrophique. L'invention concerne également des méthodes pour l'identification ou le screening de composés actifs dans ces pathologies. L'invention concerne également les composés, gènes, cellules, plasmides ou compositions utiles pour la mise en oeuvre des méthodes ci-dessus. L'invention décrit notamment le rôle de PDE4B dans ces pathologies et son utilisation comme cible thérapeutique, diagnostique ou expérimentale.

# BEST AVAILABLE COPY

SDOCID: <WO \_\_03016563A2\_I\_:

10

20

25

30

# Nouvelle Cible Moléculaire de la Neurotoxicité

La présente invention concerne le domaine de la biologie, de la génétique et de la médecine. Elle concerne notamment de nouvelles méthodes pour la détection, la caractérisation et/ou le traitement (ou la prise en charge) de pathologies neurodégénératives, notamment de la sclérose latérale également des amyotrophique. L'invention concerne méthodes pour l'identification ou le screening de composés actifs dans ces pathologies. L'invention concerne également les composés, gènes, cellules, plasmides ou compositions utiles pour la mise en œuvre des méthodes ci-dessus. L'invention découle notamment de l'identification du rôle de la phosphodiestérase 4B dans ces pathologies et décrit son utilisation comme cible ou marqueur thérapeutique, diagnostique ou expérimental de ces désordres.

De nombreuses pathologies neurodégénératives ont été décrites comme ayant une composante ou un stade lié au phénomène d'excitotoxicité. C'est le cas de la maladie d'Alzheimer, de la maladie de Parkinson, de la sclérose en plaques et de la chorée de Huntington.

La sclérose amyotrophique latérale (SAL ou ALS pour Amyotrophic Lateral Sclerosis) est une maladie neurodégénérative associée à différents types d'inclusions tels les corps de Lewis et caractérisée par une apoptose des motoneurones spinaux et corticaux dont l'issue fatale est parfois associée à une démence frontale. Des formes sporadiques, sans aucune mutation décrite, coexistent avec des formes familiales (FALS) associées à des mutations dans le gène SOD1 codant pour la superoxide dismutase. La majorité des cas est sporadique, les formes familiales (FALS) étant très rares. Il est vraisemblable qu'une longue période asymptomatique précède l'apparition des symptômes cliniques qui sont variés et dont la classification est complexe. Les futurs thérapeutiques substitueront aux traitements de développements symptomatologie des stratégies basées sur les causes moléculaires de la pathologie. Au niveau cellulaire, ces symptômes sont associés à une mort des

WO 03/016563

10

15

20

25

30

motoneurones corticaux et des motoneurones spinaux. Cette mort neuronale a été reliée à différents phénomènes qui constituent la base de plusieurs pathologies neurodégénératives. C'est le cas de l'excitotoxicité liée au glutamate, du stress oxydatif, d'une certaine auto immunité dirigée contre des marqueurs neuronaux (les canaux calciques dans le cas de l'ALS) ainsi que d'anomalies du cytosquelette. Si ces phénomènes sont décrits, la ou les causes de ces maladies, dont l'ALS, sont obscures. Même si les FALS sont liées à des mutations dans le gène SOD1 qui code pour la superoxide dismutase, les mécanismes qui engagent les neurones vers la mort cellulaire dont au moins une composante est l'apoptose, sont inconnus.

L'identification des évènements moléculaires impliqués dans les différents phénomènes impliqués dans la mort cellulaire permettra de mettre en place de nouvelles stratégies thérapeutiques. L'étude de ces évènements est difficilement réalisable à partir de biopsies humaines. Ces biopsies proviennent évidemment d'échantillons post-mortem dont la qualité est difficilement contrôlable et ne représentent que des états pathologiques représentatifs des phases tardives de la maladie.

Les modèles animaux donnent accès à des échantillons biologiques qui permettent d'analyser différentes étapes du développement d'une pathologie et de comparer ces étapes à des témoins sains. A cet égard, des souris transgéniques qui expriment le gène humain SOD1 portant l'une des mutations qui prévaut dans les FALS (mutation G93A) sont disponibles auprès de Jackson Laboratory, sous condition de prise d'une licence d'utilisation auprès de la NorthWestern University. Ce modèle reproduit en 120 jours l'issue fatale de la maladie avec des symptômes comparables à ceux de la maladie humaine. L'apparition des symptômes d'ALS liés à la mutation G93A dans SOD1 n'est pas la conséquence d'une réduction de l'activité superoxyde dismutase mais d'un gain de fonction qui augmente la capacité de l'enzyme à générer des radicaux libres. Malgré ces informations, les évènements moléculaires qui président aux différentes étapes de l'ALS sont mal connus. La complexité de

ces évènements moléculaires reflète l'évolution de la pathologie : Dans le modèle transgénique étudié, aucune dérégulation neuronale ou manifestation clinique n'a été rapportée à 30 jours. 60 jours correspondent à un stade qui précède de peu les premiers symptômes, mais qui est déjà caractérisé au niveau cérébral par des changements dans la physiologie cellulaire tels qu'une altération du métabolisme mitochondrial, un stress et une mort neuronale associés à un phénomène d'excitotoxicité. A 90 jours, 50% des motoneurones corticaux et spinaux sont morts et un processus actif d'apoptose neuronale est engagé parallèlement à une activation astrocytaire. Le phénomène d'excitotoxicité n'est plus observé à ce stade. La mort neuronale y est associée à l'activation de caspases qui ne semblent pas impliquées dans les phases précoces de la pathologie.

Identifier les différents évènements moléculaires spécifiques des différentes phases de la pathologie doit permettre d'identifier de nouvelles cibles thérapeutiques aussi bien que de nouveaux marqueurs diagnostiques. L'une des approches les plus efficaces pour réaliser cette identification consiste à identifier les gènes et les protéines dont l'expression caractérise un état physiopathologique.

20

25

30

10

15

La présente invention décrit à présent l'identification d'événements génétiques impliqués dans les phénomène d'excitotoxicité et de mort neuronale. La présente invention fournit ainsi de nouvelles approches thérapeutiques et diagnostiques des pathologies associées à ces phénomènes, ainsi que de nouvelles cibles pour l'identification de composés actifs.

Plus particulièrement, une analyse qualitative différentielle a été effectuée à partir d'ARN extraits d'échantillons de cerveau et de moelle épinière, sans isolement préalable des neurones afin de prendre en compte un maximum d'évènements d'épissages alternatifs liés au développement de la pathologie. Cette analyse a été effectuée par criblage différentiel qualitatif selon la

PCT/FR02/02861

5

10

15

20

25

30

4

technique DATAS (décrite dans la demande n° WO99/46403), qui présente des avantages inégalés.

La présente demande de brevet découle notamment de la construction par la demanderesse d'un répertoire des altérations d'épissage dans le cerveau des animaux modèles de l'ALS âgés de 60 jours. Ce répertoire, qui contient plus de 200 séquences distinctes, implique des acteurs clefs du phénomène d'excitotoxicité tels que les canaux potassiques et le récepteur NMDA. Des séquences dérivées d'ARNs codant pour des protéines impliquées dans la réponse au stress, dont des protéines de choc thermique, font également partie de ce répertoire, soulignant l'implication de cette réponse dans les phases précoces de l'ALS. Une altération du métabolisme énergétique apparaît clairement affecter les motoneurones corticaux des animaux qui développent la pathologie. Par exemple, l'intron 6 de la forme mitochondriale de la créatine kinase est isolé spécifiquement à partir des ARN messagers exprimés en conditions pathologiques chez les animaux âgés de 60 jours. Cette interruption de la séquence codante par cette rétention d'intron aboutit à un ARN messager qui code pour une forme inactive de l'enzyme. Cette observation est en accord avec les observations biochimiques qui ont montré une diminution de l'activité créatine kinase mitochondriale corrélée avec une diminution de la quantité de cette enzyme dans les neurones des animaux du même modèle transgénique. La spécificité des séquences qui constituent ce répertoire est attestée par le fait que la même analyse différentielle qualitative de l'expression génétique réalisée sur des animaux âgés de 90 jours aboutit à un répertoire différent dont sont absents notamment les différents marqueurs de l'excitotoxicité. L'analyse des modifications d'épissage confirme que les évènements moléculaires sont différents selon le stade de la pathologie.

De manière particulièrement intéressante et inattendue, la réalisation de DATAS sur des ARN d'animaux contrôles et transgéniques âgés de 60 jours a permis d'isoler un fragment d'ADNc dérivé de l'ARNm de la phosphodiestérase 4B. Ce fragment correspond à un fragment d'exon spécifiquement présent dans les

15

20

25

30

animaux contrôles et donc spécifiquement délété dans les animaux transgéniques pour SOD1G93A au stade 60 jours. Ce fragment recouvre les nucléotides 377 à 486 référencés à partir du codon stop de la PDE4B de souris (SEQ ID NO :1) (séquence également accessible dans GenBank, n°AF208023). Cette séquence comprend 2912 bases, le fragment délété correspondant aux bases 2760 à 2869. Cette région est non codante et est exprimée différentiellement entre les animaux contrôles et les animaux transgéniques, du fait de l'utilisation alternative d'un exon 3' non codant ou du fait de l'utilisation de deux sites de polyadénylation alternatifs. Cette expression différentielle a été mise en évidence par des expériences de RT PCR présentées sur les figures 1A et 1B.

La présente demande démontre donc l'implication de la phosphodiestérase 4B dans le développement des processus d'excitotoxicité et de mort neuronale. Les résultats obtenus montrent une expression plus prononcée de PDE4B dans les tissus nerveux pathologiques, liée à une modification structurale de l'ARN correspondant, notamment à la délétion d'une région dans la partie 3' noncodante. Ce résultat est tout à fait compatible avec la présence de séquences de déstabilisation des ARNm dans la séquence identifiée par DATAS. Leur délétion de l'ARNm de la PDE4B, par épissage ou par utilisation de séquences de polyadénylation alternatives, peut aboutir à une stabilisation, donc à une augmentation de l'expression de la partie codante de cet ARN. Cet événement se produit spécifiquement dans le cerveau des sujets pathologiques et non dans les sujets contrôles.

La présente invention décrit donc un événement moléculaire original qui aboutit à une augmentation de l'expression de l'ARNm de la PDE4B dans le cerveau des sujets pathologiques et qui est corrélé dans le temps avec le phénomène d'excitotoxicité et/ou de mort neuronale. L'invention montre également, pour la première fois, qu'une augmentation de l'expression de la PDE4B est associée aux stades précoces de l'ALS. La PDE4B constitue donc une cible thérapeutique nouvelle et importante dans le développement de thérapeutiques de ces pathologies, utilisables notamment à des phases précoces de leur

WO 03/016563 PCT/FR02/02861

6

développement, et s'adressant aux véritables bases moléculaires de la pathologie et non aux symptômes ou composantes inflammatoires associées. L'invention décrit également de nouvelles méthodes de diagnostic, dépistage, détection, détermination d'une prédisposition ou de suivi de l'évolution ou de l'efficacité du traitement de ces pathologies.

# Détection, Diagnostic et dépistage

5

10

15

20

25

Un objet de l'invention réside donc dans une méthode de détection d'une situation d'excitotoxicité ou de stress neuronal chez un sujet, comprenant la mesure in vitro de l'expression de la phosphodiestérase 4, notamment de la phosphodiestérase 4B dans un échantillon provenant du sujet. La méthode comprend avantageusement une mesure de l'expression différentielle de la région 3' non-codante du gène PDE4B et du reste du gène, notamment de la partie codante.

Un autre objet de l'invention réside donc dans une méthode de détection d'une situation d'excitotoxicité ou de stress neuronal chez un sujet, comprenant la détection de la présence d'une forme mutée de l'ARN de la phosphodiestérase 4, notamment de la phosphodiestérase 4B dans un échantillon provenant du sujet, en particulier d'une forme délétée de tout ou partie de la région 3' noncodante.

Un autre objet de l'invention réside dans l'utilisation d'un acide nucléique comprenant tout ou partie d'une séquence dérivée du gène ou de l'ARN messager de la PDE4B pour la mise en œuvre d'une méthode de diagnostic ou de détection d'une situation de stress neuronal et plus particulièrement la situation d'excitotoxicité.

L'invention réside, généralement, dans l'utilisation d'un acide nucléique complémentaire de tout ou partie du gène ou du messager de la PDE4B, pour la détection d'événements pathologiques de type excitotoxicité, stress ou mort

10

15

20

25

neuronale, etc. Plus généralement, l'invention repose sur une méthode de diagnostic, dépistage, caractérisation ou suivi d'une pathologie dégénérative, comprenant la mise en évidence d'une altération dans le gène PDE4 ou dans l'ARN correspondant, typiquement PDE4B.

L'expression de la PDE4, ou le différentiel d'expression, ou la présence d'une forme altérée peuvent être déterminés par des techniques conventionnelles de biologie moléculaire, comme par exemple par séquençage, hybridation, amplification, RT-PCR, migration sur gel, etc. L'invention est applicable au diagnostic ou la détection de différentes pathologies impliquant les phénomènes d'excitotoxicité, telles que la maladie d'Alzheimer, la maladie de Parkinson, la sclérose en plaques, l'ALS, la chorée de Huntington ou l'ischémie cérébrale. Elle peut être utilisée pour la détection précoce, la mise en évidence d'une prédisposition, le choix et l'adaptation d'un traitement, le suivi de l'évolution de la pathologie, etc. Elle est particulièrement adaptée à la détection à un stade précoce de la sclérose en plaques ou de l'ALS.

Pour la mise en œuvre des méthodes génétiques de diagnostic ou de détection selon l'invention, on utilise plus particulièrement des acides nucléiques capables de mettre en évidence une forme délétée de l'ARNm de la PDE4B, notamment une forme dépourvue de tout ou partie de la région 3' non codante. A titre d'exemple spécifique, on utilise un acide nucléique complémentaire de tout ou partie de la région comprise entre les résidus 2760 à 2869 de la séquence SEQ ID NO :1, ou des résidus correspondants de la séquence du gène ou de l'ARNm de la PDE4B humaine. La séquence de l'ADNc codant la PDE4B humaine et de la protéine correspondante sont représentées dans les séquences SEQ ID NO : 3 et 4 (voir également Genbank, n° NM\_002600). La région 3' non-codante de l'ARN ou du gène PDE4B humain correspond aux résidus 2461 à 4068 de SEQ ID NO :3.

30

Avantageusement, l'acide nucléique utilisé (comme sonde) comprend tout ou partie de la séquence codant la région 3' non-codante du gène ou de l'ARN de

20

25

30

la PDE4B comprise entre les nucléotides 2384 et 2869 de la séquence SEQ ID NO :1 ou entre les nucléotides 2461 et 4068 de la séquence SEQ ID NO :3 ou une séquence complémentaire de celles-ci.

- 5 Selon des modes particuliers de mise en œuvre, l'invention utilise un acide nucléique complémentaire d'une région comprise dans une séquence suivante :
  - résidus 2384 à 2869 de SEQ ID n° 1
  - résidus 2500 à 2869 de SEQ ID n° 1
  - résidus 2760 à 2869 de SEQ ID n° 1
  - résidus 2780 à 2850 de SEQ ID n° 1
    - résidus 2790 à 2810 de SEQ ID n° 1
    - résidus 2600 à 4040 de SEQ ID n° 3
    - résidus 3000 à 4040 de SEQ ID n° 3
    - résidus 3500 à 4040 de SEQ ID n° 3
- résidus 3900 à 4040 de SEQ ID n° 3.

Selon un autre mode particulier, on utilise un acide nucléique complémentaire de la séquence de la région de l'ARN de PDE4 résultant de la délétion de tout ou partie de la partie 3' non codante. L'élimination d'un domaine créé en effet de nouvelles jonctions dans la séquence, qui sont spécifiques de la forme délétée et peuvent être utilisées pour mettre en évidence la présence d'une telle forme dans un échantillon.

La complémentarité entre la sonde et la séquence cible est, de préférence, parfaite pour assurer une meilleure spécificité d'hybridation. Toutefois, il est entendu que certains mésappariements peuvent être tolérés. L'acide nucléique utilisé pour la mise en œuvre des méthodes ci-dessus peut être un ADN ou un ARN, de préférence un ADN d'origine synthétique. Il comporte de préférence de 10 à 500 bases, typiquement de 10 à 100 bases. Il est entendu qu'un acide nucléique plus long peut être utilisé, si désiré, bien que cela ne soit pas préféré. L'acide nucléique est avantageusement un ADN simple brin, de 10 à 500 bases, complémentaire d'une région au moins de la séquence 3'-non codante de la

15

20

25

30

PDE4B. L'acide nucléique peut être marqué, par exemple par voie radioactive, enzymatique, luminescente, fluorescente, chimique, etc.

Une autre approche pour détecter la présence d'une altération du gène PDE4 utilise une amorce ou un couple d'amorces nucléiques permettant une amplification sélective d'une portion de l'ARN PDE4, de préférence comprenant une portion de la région 3' non codante. On utilise typiquement une amorce permettant l'amplification sélective de la forme altérée de l'ARN de PDE4, notamment d'une amorce spécifique de la jonction créée par l'élimination du partie de la région 3' de l'ARN.

A cet égard, un objet de l'invention réside dans une amorce complémentaire d'une partie de la région 3' non-codante de la PDE4B, et permettant l'amplification d'une partie de cette région. L'amorce comporte avantageusement de 8 à 20 bases. Elle est préférentiellement composée d'un fragment de 8 à 20 résidus consécutifs de la séquence comprise entre les nucléotides 2384 et 2869 de la séquence SEQ ID NO :1 ou entre les nucléotides 2461 et 4068 de la séquence SEQ ID NO :3 ou d'une séquence complémentaire de celles-ci. Un autre objet de l'invention réside dans un couple d'amorce permettant l'amplification spécifique d'une partie au moins de la région 3' noncodante de la PDE4, le dit couple comprenant au moins une amorce telle que définie ci-dessus.

Pour la mise en œuvre des méthodes selon l'invention, on met en contact in vitro un échantillon biologique d'un sujet, contenant un acide nucléique, avec un acide nucléique (sonde, amorce, etc.) tel que défini ci-dessus, et on détecte la formation d'un hybride ou d'un produit d'amplification. L'échantillon biologique peut être un échantillon de sang, de fluide, de cellule, de tissu, etc. L'acide nucléique peut être immobilisé sur un support, de type verre, silice, nylon, etc.

Le procédé de détection, dépistage ou diagnostic peut être mis en œuvre à partir de différents types d'échantillons provenant d'un sujet, comme par

10

15

20

exemple des biopsies de tissus, notamment de tissu nerveux. De manière particulièrement surprenante et avantageuse, la présente invention montre par ailleurs que la dérégulation de l'expression de PDE4, corrélée au phénomène d'excitotoxicité, peut être mise en évidence directement dans le tissu musculaire. Ceci est tout particulièrement remarquable dans le cas de pathologies neurodégénératives telles que l'ALS.

Au cours du développement de l'ALS, les phénomènes dégénératifs se produisent non seulement dans le cerveau mais également dans la moelle épinière et en conséquence dans le muscle par défaut d'innervation. La figure 2 présente les modifications d'expression de l'ARNm de la PDE4B dans les muscles de souris contrôles et transgéniques, suivies en utilisant les mêmes amorces de PCR que lors de l'étude sur les ARN de cerveaux de ces mêmes animaux. De façon analogue, toutefois moins prononcée, une diminution de l'expression de la région 3' non codante de la PDE4B, et non du reste de cet ARNm (notamment la partie codante), est observée spécifiquement dans le muscle des animaux en fin de phase pré-symptomatique, c'est à dire âgés de 90 jours.

L'une des difficultés rencontrées lors des études et des traitements de l'ALS est la difficulté de poser un diagnostic précoce. Cette observation de dérégulation de l'ARNm de la PDE4B dans le muscle ALS permet de proposer un diagnostic précoce à partir de biopsies musculaires de patients. Ce diagnostic est basé sur la détection de l'expression différentielle de la région 3' non codante et du reste de la séquence, notamment codante, de la PDE4B.

25

30

Un procédé particulier de détection d'une situation de stress neuronal, notamment d'excitotoxicité, en particulier liée à une pathologie neurodégénérative chez un sujet, comprend la mesure de l'expression du gène PDE4B, ou de la présence de formes délétées du messager de PDE4B, dans un échantillon de cellules musculaires provenant dudit sujet.

Pour mesurer l'expression différentielle, on utilise par exemple une sonde correspondant à (c'est-à-dire spécifique de) une partie de la région 3' non codante et une sonde correspondant à une partie de la région codante de la PDE4B. Le signal détecté avec chacune de ces sondes permet d'évaluer le différentiel d'expression. Une autre approche utilise deux couples d'amorces permettant une amplification d'une portion de la région 3' non codante d'une part et d'une partie de la région codante d'autre part.

Un autre objet réside dans un kit pour l'analyse de l'expression de la PDE4, notamment de l'expression différentielle entre la région 3' non-codante et la région codante, le kit comprenant une sonde nucléotidique spécifique d'une partie de la séquence de la région 3' non-codante et une sonde nucléotidique spécifique d'une partie de la séquence de la région codante.

Un autre objet réside dans un kit pour l'analyse de l'expression de la PDE4, notamment de l'expression différentielle entre la région 3' non-codante et la région codante, le kit comprenant un couple d'amorces nucléotidiques permettant l'amplification spécifique d'une partie au moins de la région 3' non-codante de la PDE4 et un couple d'amorces nucléotidiques permettant l'amplification spécifique d'une partie au moins de la région codante de la PDE4.

#### Thérapie

5

10

15

20

25

30

Les phosphodiestérases hydrolysent les acides nucléiques cycliques tels l'AMPc et le GMPc, régulant différentes cascades de signalisation. La PDE4B hydrolyse l'AMPc, régulant ainsi la concentration intracellulaire de ce second messager. L'implication de l'AMPc dans la balance qui existe entre la viabilité cellulaire et l'apoptose est bien décrite dans la littérature. Notamment, la cascade AMPc est bien intégrée dans les cascades de survie cellulaire impliquant des kinases telles Akt et PI3K, de même que dans la régulation de l'activité du facteur de transcription CREB. Il est à noter que ce facteur de transcription est impliqué dans la survie neuronale et la croissance des neurites. Toutefois, l'utilisation

d'inhibiteurs de PDE et avantageusement de PDE4 n'a jamais été envisagée pour améliorer la viabilité neuronale et plus particulièrement leur protection contre l'excitotoxicité. Les inhibiteurs de PDE4, développés pour inhiber les phénomènes inflammatoires, ont été suggérés comme potentiellement utiles dans des pathologies neurodégénératives comme la maladie d'Alzheimer. Cette suggestion s'appuie sur la volonté de réduire les inflammations qui sont observées dans le cerveau au cours des processus neurodégénératifs et nullement sur un rationnel visant à inhiber directement la mort neuronale.

La présente invention montre l'existence d'événements d'épissage ou de sites de polyadénylation alternatifs affectant le gène de la PDE4, associés au développement de l'excitotoxicité neuronale, et fournit la base moléculaire qui justifie l'utilisation d'inhibiteurs de PDE4 pour le traitement de l'ALS et plus généralement pour améliorer la viabilité neuronale lors des phénomènes d'excitotoxicité, en particulier dès les phases précoces de ces pathologies.

Un autre objet de l'invention réside donc dans l'utilisation d'un composé capable d'inhiber ou de réduire l'expression ou l'activité de la PDE4B, pour la préparation d'une composition destinée au traitement des maladies neurodégénératives, notamment en phase précoce, plus préférentiellement pour réduire l'excitotoxicité neuronale précoce associée aux maladies neurodégénératives telles l'ALS, Alzheimer ou Parkinson.

Un objet particulier réside dans l'utilisation d'un inhibiteur de PDE4 pour la préparation d'une composition destinée au traitement de l'ALS, notamment pour réduire l'excitotoxicité chez les sujets atteints d'ALS ou pour augmenter la survie neuronale chez les sujets atteints d'ALS.

Un autre objet de l'invention réside dans l'utilisation d'un composé capable d'inhiber (de préférence de manière sélective) l'expression ou l'activité de la PDE4B de séquence SEQ ID n° 2 ou 4 pour la préparation d'une composition destinée à réduire l'excitotoxicité neuronale.

20

25

10

15

20

25

30

Un autre objet de l'invention réside dans une méthode de traitement d'une pathologie associée à un stress neuronal, notamment à une excitotoxicité, comprenant l'administration à un sujet d'un composé inhibiteur de l'activité ou de l'expression de la PDE4B, de préférence un composé inhibiteur sélectif de PDE4.

Un autre objet de l'invention réside dans une méthode de traitement de l'ALS, notamment dans une méthode pour augmenter la survie des neurones chez des patients atteints d'ALS, comprenant l'administration à un sujet d'un inhibiteur de PDE4, de préférence un composé inhibiteur sélectif de PDE4.

Dans le contexte de l'invention, le terme « traitement » désigne le traitement préventif, curatif, palliatif, ainsi que la prise en charge des patients (réduction de la souffrance, amélioration de la durée de vie, ralentissement de la progression de la maladie), etc. Le traitement peut en outre être réalisé en combinaison avec d'autres agents ou traitements, notamment adressant les événements tardifs de la pathologie, tels que des inhibiteurs de caspases ou autres composés actifs.

Le composé utilisé peut être tout composé capable d'inhiber l'expression de la PDE4, notamment la PDE4B, c'est-à-dire en particulier tout composé inhibant la transcription du gène, la maturation des ARNs, la traduction de l'ARNm, la modification post-traductionnelle de la protéine, etc. Il peut s'agir d'un composé inhibant la modification de l'ARN, notamment la délétion d'une partie de la région 3' non-codante.

Dans un mode de réalisation particulier, le composé est un acide nucléique antisens, capable d'inhiber la transcription du gène de la PDE4B ou la traduction du messager correspondant. L'acide nucléique anti-sens peut comprendre tout ou partie de la séquence du gène de la PDE4B, d'un fragment de celle-ci, du messager de la PDE4B, ou d'une séquence complémentaire à celles-ci. L'antisens peut notamment comprendre une région complémentaire de la

10

15

20

séquence comprise entre les résidus 218-2383 de SEQ ID NO :1 ou 766-2460 de SEQ ID NO :3, et inhiber (ou réduire) sa traduction en protéine. L'antisens peut être un ADN, un ARN, un ribozyme, etc. Il peut être simple-brin ou double-brin. Il peut également s'agir d'un ARN codé par un gène antisens. S'agissant d'un oligonucléotide antisens, il comprend typiquement moins de 100 bases, par exemple de l'ordre de 10 à 50 bases. Cet oligonucléotide peut être modifié pour améliorer sa stabilité, sa résistance aux nucléases, sa pénétration cellulaire, etc.

Selon un autre mode de réalisation, le composé est un peptide, par exemple comprenant une région de la protéine PDE4 (notamment PDE4B) et capable d'antagoniser son activité.

Selon un autre mode de réalisation, le composé est un composé chimique, d'origine naturelle ou synthétique, notamment une molécule organique ou inorganique, d'origine végétale, bactérienne, virale, animale, eucaryote, synthétique ou semi-synthétique, capable de moduler l'expression ou l'activité de la PDE4B.

Dans une variante préférée, on utilise un composé de synthèse, inhibiteur de PDE4. Différents types d'inhibiteurs peuvent être mis en oeuvre. Il s'agit préférentiellement de composés de la famille des pyrazolopyridines, parmi lesquels figure notamment l'étazolate, ou de composés de la famille des dérivés de xanthine (ou 2,6-dioxopurine), parmi lesquels figure notamment la pentoxifylline.

25

Les composés de la famille des pyrazolopyridines sont en particulier choisis parmi les composés suivants :

L'étazolate de formule suivante :

15

20

Ester éthylique de l'acide 4-butylamino-1-ethyl-6-methyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique (tracazolate),

Ester éthylique de l'acide 4-butylamino-1-ethyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique

1-(4-amino-pyrazolo[3,4-b]pyridin-1-yl)-β-D-1-deoxy-ribofuranose

Ester éthylique de l'acide 1-ethyl-4-(N'-isopropylidene-hydrazino)-1H-pyrazolo[3,4-b]pyridine-5-carboxylique (SQ 20009),

4-amino-6-methyl-1-n-pentyl-1H-pyrazolo[3,4-b]pyridine

Ester éthylique de l'acide 4-Amino-1-ethyl-6-methyl-1H-pyrazolo[3,4-b]pyridine-5-carboxylique (desbutyl tracacolate),

4-amino-1-pentyl-1H-pyrazolo[3,4-b]pyridine-5-carboxamide,

Ester éthylique de l'acide 1-ethyl-6-methyl-4-methylamino-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,

Ester éthylique de l'acide 4-amino-6-methyl-1-propyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,

Ester éthylique de l'acide 1-ethyl-4-ethylamino-6-methyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,

Ester éthylique de l'acide 4-amino-1-butyl-6-methyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,

5-(4-amino-pyrazolo[3,4-b]pyridin-1-yl)-2-hydroxymethyl-tetrahydro-furan-3-ol,

ester allylique de l'acide 1-allyl-4-amino-6-methyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,

acide 4-amino-6-methyl-1-pentyl-1H-pyrazolo[3,4-b]pyridine-5-carboxylique,

ester éthylique de l'acide 4-amino-1-ethyl-3,6-dimethyl-1*H*-pyrazolo[3,4b]pyridine-5-carboxylique,

5-carboxylique,

- ester éthylique de l'acide 4-dimethylamino-1-ethyl-6-methyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
- ester éthylique de l'acide 1-ethyl-6-methyl-4-propylamino-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
  - ester éthylique de l'acide 4-amino-1-pentyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
- ester éthylique de l'acide 4-amino-6-methyl-1-pent-4-ynyl-1H-pyrazolo[3,4-b]pyridine-5-carboxylique,
  - 4-amino-1-but-3-enyl-1H-pyrazolo[3,4-b]pyridine-5-allylamide,
- 4-amino-1-pentyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-isopropylamide,
  - 4-amino-1-pentyl-N-n-propyl-1H-pyrazolo-[3,4-b]pyridine-5-carboxamide,
- ester allylique de l'acide 4-amino-1-butyl-6-methyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
  - ester éthylique de l'acide 4-amino-6-methyl-1-pent-3-ynyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
- 4-amino-1-pentyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-prop-2-ynylamide ester allylique de l'acide 4-amino-1-(3-methyl-butyl)-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-
- 4-amino-1-pentyl-1H-pyrazolo<3,4-b>pyridine-5-N-(2-propenyl)carboxamide, ester allylique de l'acide 4-amino-1-pentyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
- 4-amino-1-pentyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-butylamide,
  - ester allylique de l'acide 4-amino-1-but-3-ynyl-6-methyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
- ester allylique de l'acide 4-amino-1-but-3-enyl-6-methyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
  - 4-amino-6-methyl-1-pentyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-allylamide,
- ester allylique de l'acide 4-amino-6-methyl-1-pentyl-1H-pyrazolo[3,4-b]pyridine-5-carboxylique,

- ester allylique de l'acide 4-amino-6-methyl-1-(3-methyl-butyl)-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
- ester isobutylique de l'acide 4-amino-6-methyl-1-pentyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
  - 4-amino-6-methyl-1-pentyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-butylamide,
- ester allylique de l'acide 4-amino-6-methyl-1-(3-methyl-but-2-enyl)-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
  - 4-amino-1-pentyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-cyclopropylamide,
  - ethyl 4-amino-1-pentyl-1H-pyrazolo[3,4-b]pyridine-5-hydroxamate,
- ester prop-2-ynylique de l'acide 4-amino-6-methyl-1-pentyl-1*H*-pyrazolo[3,4*b*]pyridine-5-carboxylique,
- ester allylique de l'acide 4-amino-6-methyl-1-pent-4-ynyl-1*H*-pyrazolo[3,4-20 *b*]pyridine-5-carboxylique,
  - ester allylique de l'acide 4-amino-6-methyl-1-pent-4-enyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
- 4-amino-1-pent-3-ynyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-propylamide,
  - 4-amino-1-pentyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-cyclopropylmethyl-amide,
- ester 2-méthyl-allylique de l'acide 4-amino-6-methyl-1-pentyl-1*H*-pyrazolo[3,4-30 *b*]pyridine-5-carboxylique,
  - 4-Amino-1-pent-3-ynyl-1H-pyrazolo[3,4-b]pyridine-5-allylamide (ICI 190,622),
  - 4-amino-1-pent-4-ynyl-N-2-propenyl-1H-pyrazolo[3,4-b]pyridine-5-carboxamide,
  - 4-amino-1-pent-3-ynyl-1H-pyrazolo[3,4-b]pyridine-5-prop-2-ynylamide,
    - 4-amino-1-pentyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-but-2-ynylamide,
- ester allylique de l'acide 4-amino-6-methyl-1-pent-3-ynyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
  - ester allylique de l'acide 4-amino-1-(2-cyclopropyl-ethyl)-6-methyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
- ester allylique de l'acide 4-amino-1-hex-5-ynyl-6-methyl-1*H*-pyrazolo[3,4*b*]pyridine-5-carboxylique,

- 4-amino-1-pent-3-ynyl-1H-pyrazolo[3,4-b]pyridine-5-cyclopropylmethyl-amide,
- ester but-3-énylique de l'acide 4-amino-6-methyl-1-pentyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
- ester cyclopropylmethylique de l'acide 4-amino-6-methyl-1-pentyl-1H-pyrazolo[3,4-b]pyridine-5-carboxylique,
- 4-butylamino-1-pentyl-1H-pyrazolo[3,4-b]pyridine-5-allylamide,
- ester 2-cyclopropyl-ethylique de l'acide 4-amino-6-methyl-1-pentyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
- ester cyclopropylmethylique de l'acide 4-amino-6-methyl-1-pent-3-ynyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
  - ester cyclopropylmethylique de l'acide 4-amino-6-methyl-1-pent-4-ynyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
- ester éthylique de l'acide 4-amino-1-benzyl-6-methyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
  - 4-amino-1-pentyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-benzylamide,
- 4-amino-1-pentyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-phenylamide,
  - ester benzylique de l'acide 4-amino-6-methyl-1-pentyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
- 30 4-Azido-1-β-D-ribofuranosylpyrazolo[3,4-b]pyridine,
  - 1-pent-3-ynyl-N-2-propenyl-4-propionamido-1H-pyrazolo[3,4-b]pyridine-5-carboxamide,
- 2-(4-amino-pyrazolo[3,4-*b*]pyridin-1-yl)-5-hydroxymethyl-tetrahydro-furan-3,4-diol,
  - 2-(6-methyl-1H-pyrazolo[3,4-b]pyridin-4-ylamino)-ethanol,
- 3-(6-methyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridin-4-ylamino)-propan-1-ol, ester propylique de l'acide 3-(6-methyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridin-4-ylamino)-acétique,
- ester éthylique de l'acide 2-(6-methyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridin-4-ylamino)propionique,

4. 4. 54. 4. 56

- ester éthylique de l'acide 2-(6-methyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridin-4-ylamino)-pentanoique,
- ester éthylique de l'acide 2-(6-methyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridin-4-ylamino)benzoique,
  - ester propylique de l'acide 3-(6-methyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridin-4-ylamino)-pentanoïque,
- N-benzylidene-N'-(3-methyl-1-phenyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridin-4-yl)-hydrazine,
  N-furan-2-ylmethylene-N'-(3-methyl-1-phenyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridin-4-yl)-hydrazine,
- N-(4-fluoro-benzylidene)-N'-(3-methyl-1-phenyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridin-4-yl)-hydrazine,
  - N-(3-furan-2-yl-allylidene)-N-(3-methyl-1-phenyl-1H-pyrazolo[3,4-b]pyridin-4-yl)-hydrazine,
- N-(4-methoxy-benzylidene)-N'-(3-methyl-1-phenyl-1H-pyrazolo[3,4-b]pyridin-4-yl)-hydrazine,
- 4-[(3-methyl-1-phenyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridin-4-yl)-hydrazonomethyl]benzonitrile,
  - *N*-benzo[1,3]dioxol-5-ylmethylene-*N*'-(3-methyl-1-phenyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridin-4-yl)-hydrazine,
- N-(3-methyl-1-phenyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridin-4-yl)-*N*'-(4-nitro-benzylidene)-hydrazine,
  - N-(3-methyl-1-phenyl-1H-pyrazolo[3,4-b]pyridin-4-yl)-N-(2-nitro-benzylidene)-hydrazine,
- N-(3-methyl-1-phenyl-1H-pyrazolo[3,4-b]pyridin-4-yl)-N-(4-trifluoromethyl-benzylidene)-hydrazine,
- *N*-(3-methyl-1-phenyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridin-4-yl)-*N*'-(5-nitro-furan-2-ylmethylene)-hydrazine,
  - N-(3-methyl-1-phenyl-1H-pyrazolo[3,4-b]pyridin-4-yl)-N-(2-trifluoromethylbenzylidene)-hydrazine,
- N-(3-methyl-1-phenyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridin-4-yl)-*N*'-(6-nitrobenzo[1,3]dioxol-5-ylmethylene)-hydrazine,

- Acide 4-(3-chloro-4-methoxy-benzylamino)-1-ethyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
- 4-(3-chloro-4-methoxy-benzylamino)-1-ethyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-(pyridin-4-ylmethyl)-amide,
  - 4-(3-chloro-4-methoxy-benzylamino)-1-ethyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-(tetrahydro-furan-2-ylmethyl)-amide,
- 4-(3-chloro-4-methoxy-benzylamino)-1-ethyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-(5-hydroxy-pentyl)-amide,
  - 4-(3-chloro-4-methoxy-benzylamino)-1-ethyl-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-[3-(2-oxo-pyrrolidin-1-yl)-propyl]-amide,
- ester éthylique de l'acide 4-*tert*-butylamino-1-(2-chloro-2-phenyl-ethyl)-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
- ester éthylique de l'acide 1-(2-chloro-2-phenyl-ethyl)-4-cyclopropylamino-1*H*-20 pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
  - ester éthylique de l'acide 1-(2-chloro-2-phenyl-ethyl)-4-propylamino-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
- ester éthylique de l'acide 1-(2-chloro-2-phenyl-ethyl)-4-phenylamino-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
  - ester éthylique de l'acide 4-butylamino-1-(2-chloro-2-phenyl-ethyl)-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
- ester éthylique de l'acide 1-(2-chloro-2-phenyl-ethyl)-4-(2-ethoxy-ethylamino)-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
- ester éthylique de l'acide 4-benzylamino-1-(2-chloro-2-phenyl-ethyl)-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
  - ester éthylique de l'acide 1-(2-chloro-2-phenyl-ethyl)-4-phenethylamino-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridine-5-carboxylique,
- Parmi les dérivés de xanthine, on utilise en particulier (i) les (ω-1)-hydroxyalkyl-dialkylxanthine où le groupe (ω-1)-hydroxyalkyle contient 5 ou 6 atomes de carbone et est en position 1 ou 7, le groupe alkyle sur l'autre position 7 ou 1 contient de 1 à 12 atomes de carbone et le groupe alkyle en position 3 contient de 1 à 4 atomes de carbone, (ii) les (ω-1)-oxoalkyl-diméthylxanthine où le groupe (ω-1)-oxoalkyle contient 5 ou 6 atomes de carbone et est en position 1

10

15

20

25

ou 7, ou (iii) les dérivés de diméthylxanthine ayant un groupe alkyle contenant de 4 à 12 atomes de carbone ou un groupe benzyle en position 1 ou 7.

Typiquement, les oxoalkyl-dialkylxanthines incluent par exemple les 1-(5oxohexyl)-3,7- and 7-(5-oxohexyl)-1,3-dimethylxanthines. D'autres xanthines 3.7notamment utilisées telles que également peuvent être dimethylxanthines et 1,3-dimethylxanthines substituées par un groupe butyle, isoamyle, hexyle, lauryle ou benzyle en position 1 ou 7, ainsi que les homologues de ces composés avec un groupe hydroxy ou oxo en position (ω-1-(5-hydroxyhexyl)-3,7-1-(4-hydroxypentyl)et 1)-position. ex. les 7-(5-hydroxyhexyl)-1,3-7-(4-hydroxypentyl)et diméthylxanthines, diméthylxanthines, 1-(4-oxopentyl)-, 1-(5-oxohexyl)-, 1-(2-methyl-3-oxobutyl)- et 1-(2-ethyl-3-oxobutyl)-3,7-diméthylxanthines et les composés 1,3-dimethyl correspondant présentant le groupe (ω-1)-hydroxyalkyl ou (ω-1)-oxoalkyl en position 7. Des homologues des hydroxyalkyl-diméthylxanthines mentionnés cidessus, sont ceux présentant en position 1 ou 7 qui n'est pas occupée par un groupe hydroxyalkyle, au lieu d'un groupe méthyle, un groupe alkyle ayant de 2 à 12 atomes de carbone, tel que 1-éthyl-, 1-propyl-, 1-butyl- et 1-isobutyl-3méthyl-7-(5-hydroxyhexyl)-xanthines et 7-éthyl-, 7-propyl-, 7-butyl- et 7-isobutyl-1-(5-hydroxyhexyl)-3-méthylxanthines, les composés correspondants et présentant à la place du radical méthyl en position un groupe alkyle de 2 à 4 atomes de carbone, tel que notamment un radical éthyl, n-propyle, isopropyle, isobutyle ou n-butyle.

Parmi ces dérivés de xanthine, on utilise en particulier la pentoxifylline de formule suivante :

10

15

20

25

30

La présente invention propose donc, pour la première fois, la PDE4B comme cible thérapeutique pour le traitement des événements moléculaires associés à l'excitotoxicité. Selon des modes de mise en œuvre particuliers, l'invention peut être utilisée pour inhiber ou réduire l'excitotoxicité neuronale en phase précoce des maladies neurodégénératives. Elle est applicable notamment au traitement de la maladie d'Alzheimer, de la maladie de Parkinson, de la sclérose en plaques, de l'ALS, de la chorée de Huntington ou de l'ischémie cérébrale.

D'autres objets de l'invention résident dans :

l'utilisation des composés indiqués ci-dessus, en particulier de l'étazolate ou de la pentoxifylline, pour le traitement de l'ALS, notamment pour réduire l'excitotoxicité neuronale en phase précoce de l'ALS, ou

. l'utilisation des composés indiqués ci-dessus, en particulier de la pentoxifylline ou de l'étazolate, pour la préparation d'une composition destinée à inhiber l'activité de la PDE4B chez les patients atteints d'ALS.

L'invention concerne également des méthodes de traitement de l'ALS comprenant l'administration d'un composé inhibant sélectivement l'expression ou l'activité de la PDE4B de séquence SEQ ID n° 2 ou 4. De préférence, les méthodes de l'invention sont utilisées pour le traitement en phase précoce des maladies neurodégénératives.

L'administration peut être réalisée par toute méthode connue de l'homme du métier, de préférence par voie orale ou par injection, typiquement par voie intra-péritonéale, intra-cérébrale, intra-veineuse, intra-artérielle ou intra-musculaire. L'administration par voie orale est préférée. Les doses administrées peuvent être adaptées par l'homme de l'art. Typiquement, de 0,01 mg à 100 mg / kg environ sont injectés, pour des composés inhibiteurs de nature chimique. Pour des composés nucléiques, les doses peuvent varier par exemple entre 0,01 mg et 100 mg par dose. Il est entendu que des injections répétées peuvent être réalisées, éventuellement en combinaison avec d'autres agents actifs ou tout

véhicule acceptable sur le plan pharmaceutique (ex., tampons, solutions saline, isotonique, en présence d'agents stabilisants, etc.).

L'invention est utilisable chez les mammifères, notamment chez l'être humain. Les résultats présentés dans les exemples illustrent l'efficacité d'inhibiteurs de PDE4B pour améliorer la viabilité de neurones placés en conditions d'excitotoxicité.

# Méthodes de sélection et outils

10

15

20

25

30

D'autres objets de l'invention concernent des méthodes de sélection, identification ou caractérisation de composés actifs sur les pathologies associées à l'excitotoxicité, ou au stress neuronal, comprenant la mise en contact de composés tests avec une cellule exprimant la PDE4B (notamment un variant dépourvu de domaine 3' non-codant), et la mise en évidence des composés inhibant l'expression ou l'activité de cette protéine.

Les méthodes peuvent être mises en œuvre avec différentes populations cellulaires, telles que des cellules primaires ou des lignées de cellules d'origine mammifère (humaine, murine, etc.). On utilise avantageusement des cellules qui n'expriment pas naturellement la PDE4B, transfectées avec un acide nucléique codant le variant souhaité. De cette manière, la sélectivité de la méthode est augmentée. On peut également utiliser des cellules eucaryotes inférieures (levure, etc.) ou des cellules procaryotes.

Les méthodes de screening peuvent également être réalisées en système acellulaire, par mesure de la capacité de composés tests à lier la PDE4B ou un variant ou fragment de celle-ci.

Un autre objet de l'invention concerne tout acide nucléique codant un polypeptide tel que défini ci-dessus, les vecteurs le contenant, cellules

recombinantes, et utilisations. Les vecteurs peuvent être des plasmides, phages, cosmides, virus, chromosomes artificiels, etc. Des vecteurs préférés sont par exemple des vecteurs plasmidiques, comme ceux dérivés de plasmides commerciaux (pUC, pcDNA, pBR, etc.). De tels vecteurs comportent avantageusement un gène de sélection et/ou une origine de réplication et/ou un promoteur transcriptionnel. D'autres vecteurs particuliers sont par exemples des virus ou des phages, notamment des virus recombinants défectifs pour la réplication, tels que des virus dérivés de rétrovirus, adénovirus, AAV, herpèsvirus, baculovirus, etc. Les vecteurs peuvent être utilisés dans tout hôte compétent, comme par exemple des cellules prokaryotes ou eukaryotes. Il peut s'agit de bactéries (par exemple E. coli), levures (par exemple Saccharomyces ou Kluyveromyces), cellules végétales, cellules d'insectes, cellules de mammifères, notamment humaines, etc. Il peut s'agir de lignées, cellules primaires, cultures mixtes, etc.

15

25

10

5

D'autres aspects et avantages de la présente invention apparaîtront à la lecture des exemples qui suivent, qui doivent être considérés comme illustratifs et non limitatifs.

# 20 LEGENDE DES FIGURES

- Figure 1: PCR semi-quantitative de PDE4B à partir d'échantillons de cerveau (1A) et de muscle (1B).
- Figure 2: La pentoxifylline protège les neurones primaires de granules cérébelleux de l'excitotoxicité induite par le kainate.
- Figure 3: La pentoxifylline protège les neurones primaires de granules cérébelleux de l'excitotoxicité induite par NMDA/serine.
- Figure 4: Effet neuroprotecteur de l'étazolate sur la toxicité induite par NMDA/serine sur les cellules granulaires du cervelet.
- Figure 5: Effet neuroprotecteur de l'étazolate sur la toxicité induite par le kainate sur les cellules granulaires du cervelet.

- Figure 6: Effet neuroprotecteur de la pentoxifylline sur la toxicité induite par NMDA/serine sur les neurones corticaux.
- Figure 7: Effet neuroprotecteur de la pentoxifylline sur la toxicité induite par le kainate sur les neurones corticaux.
- 5 Figure 8: Effet neuroprotecteur de l'étazolate sur la toxicité induite par NMDA/serine sur les neurones corticaux.
  - Figure 9: Effet neuroprotecteur de l'étazolate sur la toxicité induite par le kainate sur les neurones corticaux.
  - Figure 10: Effet neuroprotecteur du 8-bromo-cAMP sur la toxicité induite par NMDA/serine sur les cellules granulaires du cervelet.
  - Figure 11: Effet neuroprotecteur du 8-bromo-cAMP sur la toxicité induite par le kainate sur les cellules granulaires du cervelet.

## **EXEMPLES**

15

20

25

30

# Exemple 1 : Identification de la PDE4 comme cible moléculaire de l'excitotoxicité

L'analyse qualitative différentielle a été effectuée à partir d'ARN poly adénylés (poly A+) extraits d'échantillons de cerveaux d'animaux correspondant aux différents stades, sans isolement préalable des neurones afin de prendre en compte un maximum d'évènements d'épissages alternatifs liés au développement de la pathologie.

Les ARN poly A+ sont préparés selon des techniques connues de l'homme de métier. Il peut s'agir en particulier d'un traitement au moyen d'agents chaotropiques tels que le thiocyanate de guanidium suivi d'une extraction des ARN totaux au moyen de solvants (phénol, chloroforme par exemple). De telles méthodes sont bien connues de l'homme du métier (voir Maniatis et al., Chomczynsli et al., Anal. Biochem. 162 (1987) 156), et peuvent être aisément pratiquées en utilisant des kits disponibles dans le commerce. A partir de ces ARN totaux, les ARN poly A+ sont préparés selon des méthodes classiques connues de l'homme de métier et proposées par des kits commerciaux.

15

20

25

30

Ces ARN poly A+ servent de matrice à des réactions de transcription inverse à l'aide de reverse transcriptase. Avantageusement sont utilisées des reverse transcriptases dépourvues d'activité RNase H qui permettent d'obtenir des premiers brins d'ADN complémentaire de tailles supérieures à ceux obtenus avec des reverse transcriptases classiques. De telles préparations de reverse transcriptases sans activité RNase H sont disponibles commercialement.

Pour chaque point de la cinétique de développement de la pathologie (30 jours, 60 jours et 90 jours) les ARN poly A+ ainsi que les ADNc simple brins sont préparés à partir des animaux transgéniques (T) et des animaux contrôles syngéniques (C).

Conformément à la technique DATAS, pour chaque point de la cinétique sont réalisées des hybridations d'ARNm (C) avec des ADNc (T) et des hybridations réciproques d'ARNm (T) avec des ADNc (C).

Ces hétéroduplex ARNm/ADNc sont ensuite purifiés selon les protocoles de la technique DATAS.

Les séquences d'ARN non appariées avec un ADN complémentaire sont libérées de ces hétéroduplex sous l'action de la RNase H, cette enzyme dégradant les séquences d'ARN appariées. Ces séquences non appariées représentent les différences qualitatives qui existent entre des ARN par ailleurs homologues entre eux. Ces différences qualitatives peuvent être localisées n'importe où sur la séquence des ARN, aussi bien en 5', 3' ou à l'intérieur de la séquence et notamment dans la séquence codante. Selon leur localisation, ces séquences peuvent être non seulement des modifications d'épissage mais également des conséquences de translocations ou de délétions.

Les séquences d'ARN représentant les différences qualitatives sont ensuite clonées selon les techniques connues de l'homme de métier et notamment celles décrites dans le brevet de la technique DATAS.

Ces séquences sont regroupées au sein de banques de cDNA qui constituent des banques qualitatives différentielles. Une de ces banques contient les exons et les introns spécifiques de la situation saine ; les autres banques contiennent les évènements d'épissage caractéristiques des conditions pathologiques.

L'expression différentielle des clones a été vérifiée par hybridation avec des sondes obtenues par reverse-transcription à partir d'ARN messagers extraits des différentes situations étudiées. Les clones hybridant de façon différentielle ont été retenus pour analyse ultérieure. Les séquences identifiées par DATAS correspondent à des introns et/ou à des exons exprimées de façon différentielle par épissage entre les situations pathologiques et la situation saine. Ces évènements d'épissage peuvent être spécifiques d'une étape donnée du développement de la pathologie ou caractéristiques de l'état sain.

La comparaison de ces séquences avec les banques de données permet de classifier les informations obtenues et de proposer une sélection raisonnée des séquences selon leur intérêt diagnostique ou thérapeutique.

La réalisation de DATAS sur des ARN d'animaux contrôles et transgéniques âgés de 60 jours a permis d'isoler un fragment d'ADNc dérivé de l'ARNm de la phosphodiestérase 4B. Ce fragment correspond à un fragment d'exon spécifiquement présent dans les animaux contrôles et donc spécifiquement délété dans les animaux transgéniques pour SOD1G93A au stade 60 jours. Ce fragment recouvre les nucléotides 377 à 486 référencés à partir du codon stop de la PDE4B de souris (SEQ ID NO :1). Cette séquence comprend 2912 bases, le fragment délété correspondant aux bases 2760 à 2869. Cette région est non codante et est exprimée différentiellement entre les animaux contrôles et les animaux transgéniques, du fait de l'utilisation alternative d'un exon 3' non codant ou du fait de l'utilisation de deux sites de polyadénylation alternatifs.

Exemple 2 : Expériences de RT-PCR : Confirmation de l'expression différentielle :

L'expression différentielle de la PDE4B dans une situation de stress neuronal, par rapport à une situation de référence, a été vérifiée par des expériences de RT PCR présentées sur la figure 1.

15

20

25

15

20

Ces expériences ont été réalisées selon des techniques bien connues de l'homme de métier et ont permis de suivre les expressions de deux régions distinctes de l'ARNm de la PDE4B. Une de ces régions recouvre le codon d'initiation de cet ARNm (PDE4B 5'), l'autre recouvre en partie le fragment identifié selon la technique DATAS (PDE4B DATAS). Les localisations des amorces de PCR utilisées sont indiquées sur la figure 1.

L'ARN PO correspond à un ARN ribosomal utilisé comme contrôle interne destiné à vérifier que la même quantité d'ARN est utilisée pour chaque point expérimental. Les analyses ont été réalisées à partir d'ARN extraits d'animaux contrôles (C) et transgéniques (T) âgés de 30, 60 et 90 jours, c'est à dire avant l'apparition des symptômes pathologiques.

Les ARN totaux du cerveau des souris contrôle ou SOD1 G93A âgées 30, 60 et 90 jours sont transcrits en ADNc utilisant le protocole standard de Superscript<sup>TM</sup> (Invitrogen). Pour les PCR semi-quantitatives les produits de la réaction de reverse transcription sont dilués 10 fois. Les amorces spécifiques du fragment DATAS correspondent pour le sens aux nucléotides 2526-2545 (5' GCC AGG CCG TGA AGC AAA TA 3'; SEQ ID NO : 5), et pour l'anti-sens aux 2790-2807 (5' TCA AAG ACG CGA AAA CAT 3'; SEQ ID NO : 6) et pour le fragment plus en 3 prime les amorces correspondent pour le sens aux nucléotides 145-165 (5' CCG CGT CAG TGC CTT TGC TAT 3'; SEQ ID NO : 7), et pour l'anti-sens aux 426-404 (5' CGC TGT CGG ATG CTT TTA TTC AC 3'; SEQ ID NO : 8). Comme gène de référence le gène P0 est utilisé et amplifié par les amorces, sens : 5' TCG CTT TCT GGA GGG TGT C 3' (SEQ ID NO : 9) et anti-sens : CCG CAG GGG CAG CAG TGG 3' (SEQ ID NO : 10).

L'amplification est effectuée par 30 cycles de PCR suivants :

- 30 secondes à 94°C
- une minute à 57°C
- 30 secondes à 72°C, suivi par un cycle de 2 minutes à 72°C

Les différents produits de PCR sont mis sur un gel d'agarose de 1.5 %. L'expérience est répétée trois fois avec deux réactions de reverse transcription différentes.

15

20

25

30

03016563A2 | 5

SDOCID: <WO

La figure 1 présente les résultats obtenus à partir d'ARN extraits des cerveaux ou des muscles des animaux.

Alors que la même quantité d'ADNc est amplifiée à partir de l'ARN de PO dans tous les échantillons, de variations sont observées pour l'ARNm de la PDE4B : les variations les plus significatives sont détectées chez les animaux âgés de 90 jours : alors qu'une augmentation du niveau d'expression du fragment PDE4 5' est observée dans le cerveau des animaux transgéniques, une très forte diminution de l'expression de PDE4B (DATAS) est observée dans le cerveau des animaux transgéniques.

Ce résultat établit une corrélation entre la diminution de l'expression d'un fragment 3' non codant de l'ARNm de la PDE4B et l'augmentation de l'expression de la partie 5' codante de ce même messager. Ce résultat est tout à fait compatible avec la présence de séquences de déstabilisation des ARNm dans la séquence identifiée par DATAS et démontre la corrélation entre l'expression de PDE4B et le phénomène d'excitotoxicité.

# Exemple 3 : Inhibition de l'excitotoxicité par des inhibiteurs de PDE4

Pour cet exemple, des neurones granulaires du cervelet de rat ainsi que des neurones corticaux ont été mis en culture selon les techniques connues de l'homme de métier.

## Culture primaire des cellules granulaires de cervelet :

Les rats Wistar âgés de sept jours sont décapités et leurs cervelets sont disséqués. Après avoir enlevé les méninges, le tissu est coupé en petits morceaux et trypsinisé pendant 15 minutes à 37°C. Les cellules sont dissociées par trituration et mises en cultures à une densité 300.000 cellules par cm² dans du milieu basal Eagle supplémenté avec 10% du sérum de veau fœtal et 2 mM glutamine. Le lendemain 10 μM ARA-C, un anti-mitotique, est ajouté pour empêcher la prolifération des cellules gliales. Les cellules sont traitées le jour 9 de cultures avec les phosphodiesterase inhibiteurs, pentoxifylline et étazolate, trois heures avant l'addition des toxiques, 50 μM kainate ou 100 μM N-methyl-D-

10

15

20

25

30

aspartate en présence de 10 µM D-sérine. Le 8-bromo-cAMP est ajouté juste avant les toxiques. Tous les traitements sont effectués au minimum en double et dans au moins deux cultures différentes. Après une incubation de six heures la toxicité est mesurée par un test MTT. Les résultats, normalisés à la moyenne du non-traité, sont statistiquement analysés par le test de Wilcoxon. La valeur significative est déterminée à *p* inférieur ou égal à 0.05.

## Cultures primaires des cellules corticales :

Des embryons de rat Wistar, âgés de 16 jours, sont prélevés et les cortex sont disségués. Après la trypsination à 37°C pendant 25 minutes, les cellules sont dissociées par trituration. Les cellules sont ensemencées dans du milieu essentiel minimum, supplémenté avec 10% de sérum de cheval et 10% de sérum de veau fœtal et 2 mM glutamine, à une densité de 300.000 cellules par cm<sup>2</sup>. Après 4 jours en culture la moitié du milieu est changée avec du milieu essentiel minimum supplémenté avec 5% de sérum de cheval et 2 mM glutamine. Le même jour, 10 µM de 5-fluoro-2-deoxyuridine, un anti-mitotique, est ajouté. Après sept et onze jours de culture, la moitié du milieu est changée par du milieu conditionné. Le milieu conditionné est composé de MEM contenant 5 % de sérum de cheval et 2 mM glutamine ; ce milieu est passé sur un tapis d'astrocytes corticales pendant une nuit avant son utilisation. A jour 14, les cellules sont traitées avec les phosphodiesterase inhibiteurs, pentoxifylline et étazolate, une heure avant l'addition des toxiques, 50 µM kainate ou 20 µM Nmethyl-D-aspartate en présence de 10 µM D-sérine. Tous les traitements sont effectués au minimum en double et dans au moins deux cultures différentes. Après une incubation de six heures la toxicité est mesurée par un test MTT. Les résultats, normalisés à la moyenne du non-traité, sont statistiquement analysés par le test de Wilcoxon. La valeur significative est déterminée à p inférieur ou égal à 0.05.

## MTT:

La toxicité est mesurée en utilisant le test MTT. Après l'incubation avec les composés, du MTT est ajouté à une concentration finale de 0.5 mg/ml par puits.

WO 03/016563 PCT/FR02/02861

31

Les plaques sont ensuite incubées pendant 30 minutes à 37 °C dans le noir. Le milieu est aspiré et les cristaux sont resuspendus dans 500 µl de DMSO (dimethylsulfoxyde). L'absorbance à 550 nm est lue et le pourcentage de viabilité est calculé.

5

10

15

### Résultats:

Les résultats obtenus sont présentés sur les figures 2-10. Ces résultats illustrent l'effet protecteur des composés de l'invention sur la survie neuronale. Lors du co-traitement des neurones par un inhibiteur de PDE4, un effet protecteur dose-dépendent est observé dans les deux modes d'induction de l'excitotoxicité (NMDA/Serine et kainate). Un tel effet protecteur est observé à l'aide de la pentoxifylline et de l'étazolate.

Les figures 2 et 3 présentent des résultats obtenus à l'aide de la pentoxifylline sur les cellules granulaires du cervelet. Les résultats présentés montrent que la pentoxifylline permet d'atteindre sur ces cellules un effet protecteur de 43% dans le cas du traitement NMDA/serine, et de 33% dans le cas de la toxicité induite par le kainate.

20

Les figures 4 et 5 présentent des résultats obtenus à l'aide de l'étazolate sur les cellules granulaires du cervelet. Les résultats présentés montrent que l'étazolate permet d'atteindre sur ces cellules un effet protecteur de 60% dans le cas du traitement NMDA/Ser, et de 57% dans le cas de la toxicité induite par le kainate.

25

30

Les figures 6 et 7 présentent des résultats obtenus à l'aide de la pentoxifylline sur les neurones corticaux. Les résultats présentés montrent que la pentoxifylline permet d'atteindre sur ces cellules un effet protecteur de 50% dans le cas du traitement NMDA/Ser, et de 66% dans le cas de la toxicité induite par le kainate.

10

15

20

25

30

Les figures 8 et 9 présentent des résultats obtenus à l'aide de l'étazolate sur les neurones corticaux. Les résultats présentés montrent que l'étazolate permet d'atteindre sur ces cellules un effet protecteur de 33% dans le cas du traitement NMDA/Ser, et de 25% dans le cas de la toxicité induite par le kainate.

La pertinence de ces protections est attestée par les % de protection obtenus par des concentrations croissantes d'AMPc, substrat des PDE, donnés à titre d'exemple pour les cellules granulaires du cervelet sur les figures 10 et 11. Ces % sont de 40% pour le traitement NMDA/serine et de 40% pour le traitement kainate.

La présente invention documente donc non seulement l'implication de la PDE4B dans les mécanismes d'excitotoxicité, notamment dans un modèle d'ALS, mais également la capacité d'inhibiteurs de PDE4 à préserver la viabilité neuronale lors de stress liés à l'excitotoxicité.

# Exemple 4: Utilisation clinique chez l'homme

Cet exemple décrit les conditions d'une utilisation en clinique humaine d'un inhibiteur de PDE4, dans le traitement de l'ALS. Cet exemple illustre le potentiel thérapeutique de l'invention et ses conditions d'application à l'être humain.

Dans cet essai clinique, le traitement est basé sur une combinaison de pentoxifylline et de riluzole. La dose de pentoxifylline utilisée est de 400 mg par administration, sous forme de trois prises quotidiennes, soit une dose quotidienne totale de 1200 mg. La pentoxifylline est utilisée sous forme de comprimés. L'essai est multi-centrique et réalisé en double-aveugle contre placebo sur 400 patients. Les patients inclus dans l'essai sont des hommes ou des femmes âgés de 18 à 80 ans, atteints d'ALS sporadique ou familiale, et sous traitement par le riluzole (50 mg b.i.d.) depuis 3 mois au moins. Le traitement à la pentoxifylline est prévu sur une durée de 18 mois.

L'efficacité est mesurée principalement par le taux de survie des patients, la qualité de vie, des tests musculaires.

D'autres aspects et applications de l'invention résident dans :

- l'utilisation de tout ou partie d'une séquence dérivée de l'ARN messager de la PDE4B à des fins de diagnostic ou de dépistage ou de caractérisation de pathologies neurodégénératives ayant une composante ou un stade lié au phénomène d'excitotoxicité, telles que la maladie d'Alzheimer, la maladie de Parkinson, la sclérose en plaques, la chorée de Huntington, l'ALS ou l'ischémie cérébrale,
- l'utilisation de tout fragment d'acide nucléique y compris des ARN anti-sens dans le but d'inhiber l'expression de la PDE4B e chez les patients atteints de telles pathologies,
- l'utilisation de tout composé chimique, notamment de la pentoxifylline, de l'étazolate, ou de toute composition pharmaceutique les contenant, dans le but d'inhiber l'activité de la PDE4B chez les patients atteints de telles pathologies,
  - l'utilisation de tout ou partie d'une séquence dérivée de l'ARN messager de la PDE4B à des fins de caractérisation du tissu et de la situation ischémique.

20

5

10

- 1. Méthode de détection d'une situation d'excitotoxicité ou de stress neuronal chez un sujet, comprenant la mesure in vitro de l'expression de la phosphodiestérase 4, notamment de la phosphodiestérase 4B dans un échantillon provenant du sujet.
- 2. Méthode selon la revendication 1, comprenant la détection de la présence d'une forme mutée de l'ARN de la phosphodiestérase 4, notamment de la phosphodiestérase 4B dans un échantillon provenant du sujet, en particulier d'une forme délétée de tout ou partie de la région 3' non-codante.
- 3. Méthode selon la revendication 1 ou 2, comprenant la mise en contact in vitro d'un échantillon biologique d'un sujet, contenant un acide nucléique, avec un acide nucléique comprenant tout ou partie d'une séquence dérivée du gène ou de l'ARN messager de la PDE4B, et la détection de la formation d'un hybride.
- 4. Méthode selon la revendication 3, caractérisée en ce que l'échantillon comprend des cellules nerveuses ou musculaires.
- 5. Méthode selon l'une quelconque des revendications précédentes, pour le diagnostic ou la détection de la maladie d'Alzheimer, de la maladie de Parkinson, de la sclérose en plaques, de la chorée de Huntington, de l'ALS ou de l'ischémie cérébrale.
- 6. Utilisation d'au moins un composé inhibant ou réduisant l'expression ou l'activité de la PDE4, pour la préparation d'une composition pharmaceutique destinée au traitement des maladies neurodégénératives.
- 7. Utilisation selon la revendication 6, caractérisée en ce que le composé est un acide nucléique anti-sens capable d'inhiber la transcription du gène de la PDE4B ou la traduction du messager correspondant.

5

10

- 8. Utilisation selon la revendication 6, caractérisée en ce que le composé est un composé chimique, d'origine naturelle ou synthétique.
- 9. Utilisation selon la revendication 8, caractérisée en ce que le composé est choisi parmi les composés de la famille des pyrazolopyridines, en particulier l'étazolate, et les composés de la famille des dérivés de xanthine, en particulier la pentoxifylline.
- 10. Utilisation selon l'une des revendications 6 à 9, pour inhiber ou réduire l'excitotoxicité neuronale en phase précoce des maladies neurodégénératives.
  - 11. Utilisation selon l'une des revendications 6 à 10, pour améliorer la survie neuronale chez les patients atteints d'ALS.
  - 12. Utilisation selon l'une des revendications 6 à 11, pour le traitement de la maladie d'Alzheimer, de la maladie de Parkinson, de la sclérose en plaques, de la chorée de Huntington ou de l'ischémie cérébrale.
- 13. Utilisation selon l'une des revendications 6 à 11, pour le traitement de l'ALS, notamment pour réduire l'excitotoxicité neuronale en phase précoce de l'ALS.
  - 14. Utilisation de la pentoxifylline pour la préparation d'une composition destinée à augmenter la survie neuronale chez les patients atteints d'ALS.
  - 15. Utilisation de l'étazolate pour la préparation d'une composition destinée à augmenter la survie neuronale chez les patients atteints d'ALS.
- 16. Utilisation d'au moins un composé inhibiteur de PDE4 appartenant à la famille des pyrazolopyridines, pour la préparation d'une composition pharmaceutique destinée à augmenter la survie neuronale chez les patients atteints d'ALS.

PCT/FR02/02861

- 17. Amorce nucléotidique, caractérisée en ce qu'elle est composée d'un fragment de 8 à 20 résidus consécutifs de la séquence comprise entre les nucléotides 2384 et 2869 de la séquence SEQ ID NO :1 ou entre les nucléotides 2461 et 4068 de la séquence SEQ ID NO :3 ou d'une séquence complémentaire de celles-ci.
- 18. Kit pour l'analyse de l'expression de la PDE4, notamment de l'expression différentielle entre la région 3' non-codante et la région codante, le kit comprenant une sonde nucléotidique spécifique d'une partie de la séquence de la région 3' non-codante et une sonde nucléotidique spécifique d'une partie de la séquence de la région codante.
- 19. Kit pour l'analyse de l'expression de la PDE4, notamment de l'expression différentielle entre la région 3' non-codante et la région codante, le kit comprenant un couple d'amorces nucléotidiques permettant l'amplification spécifique d'une partie au moins de la région 3' non-codante de la PDE4 et un couple d'amorces nucléotidiques permettant l'amplification spécifique d'une partie au moins de la région codante de la PDE4.

20

5

10

1/12

Analyse d'expression d'isoforme de PDE4B dans le cerveau par PCR semi-quantitative

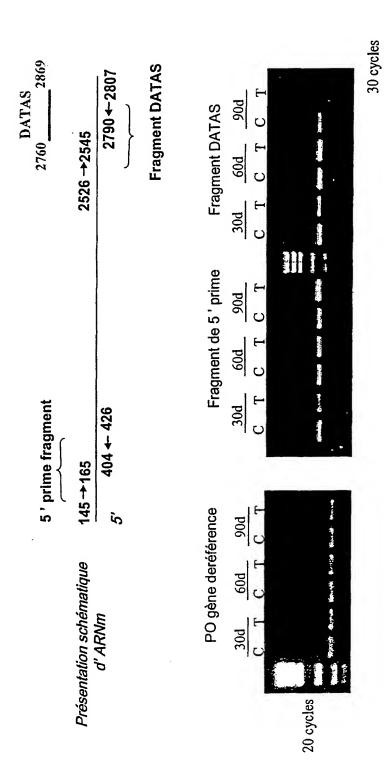
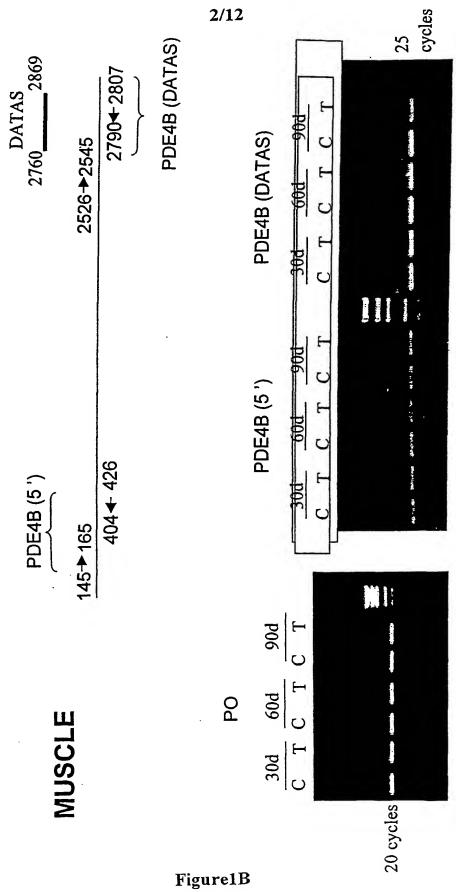
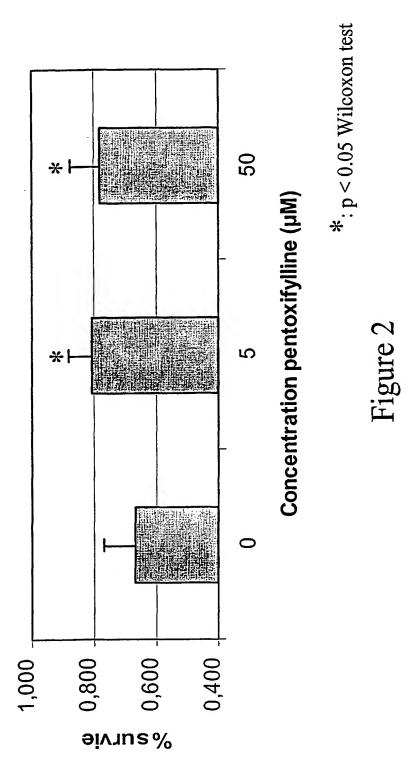
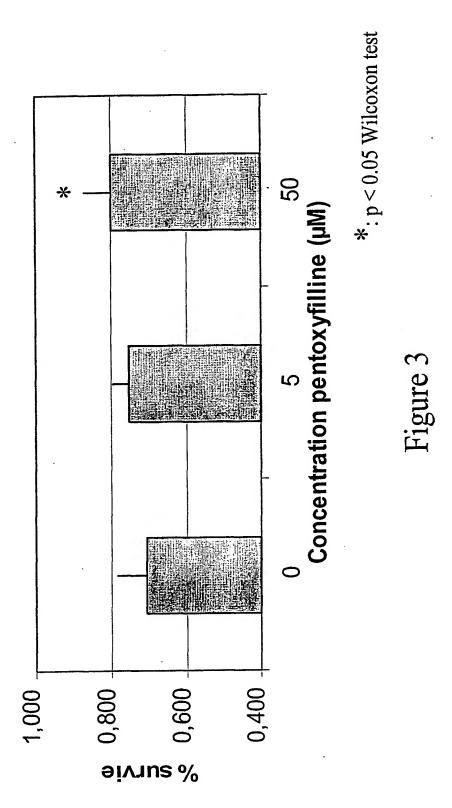


Figure 1A





00016563A2 1 >



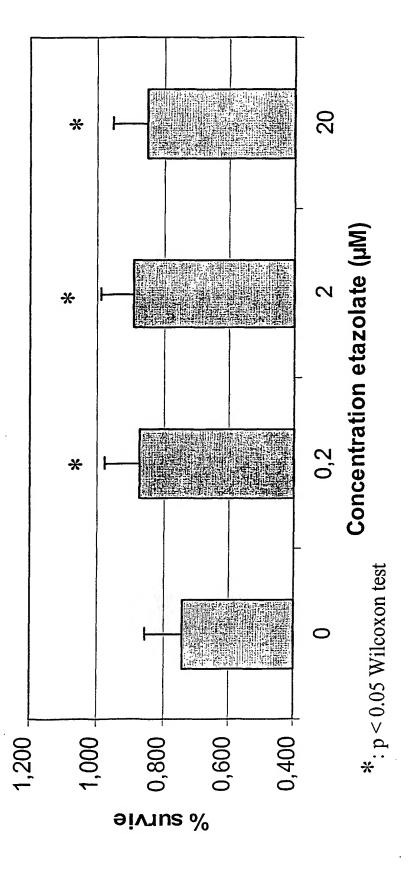
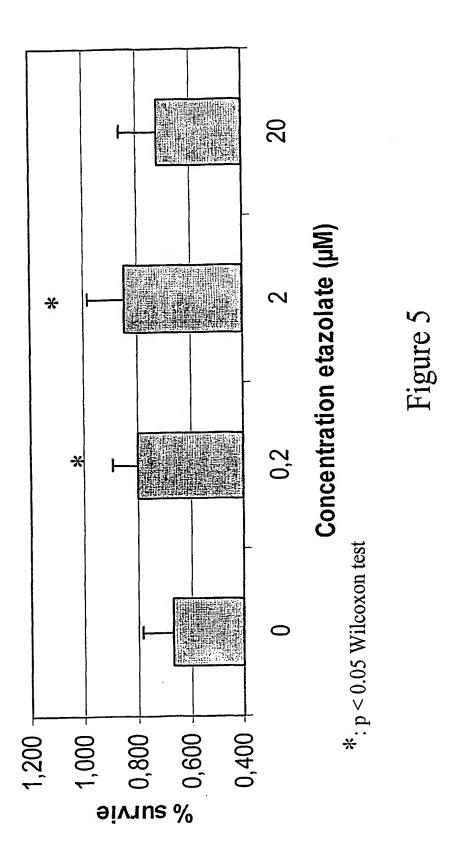
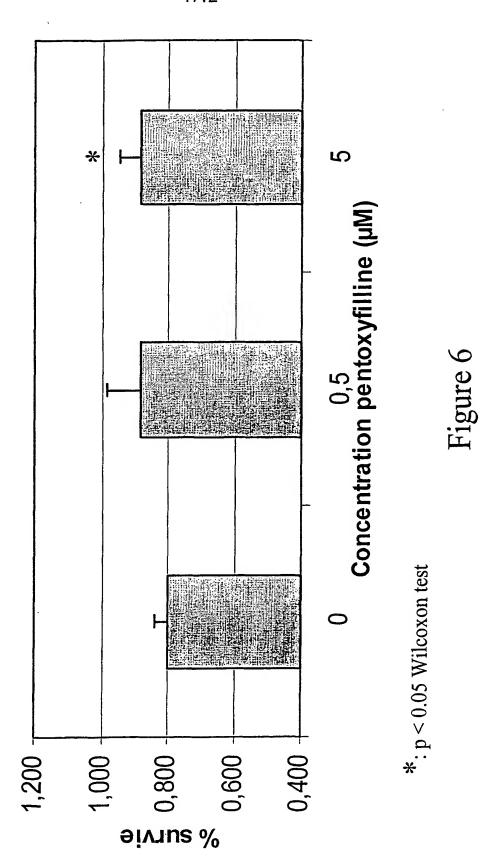
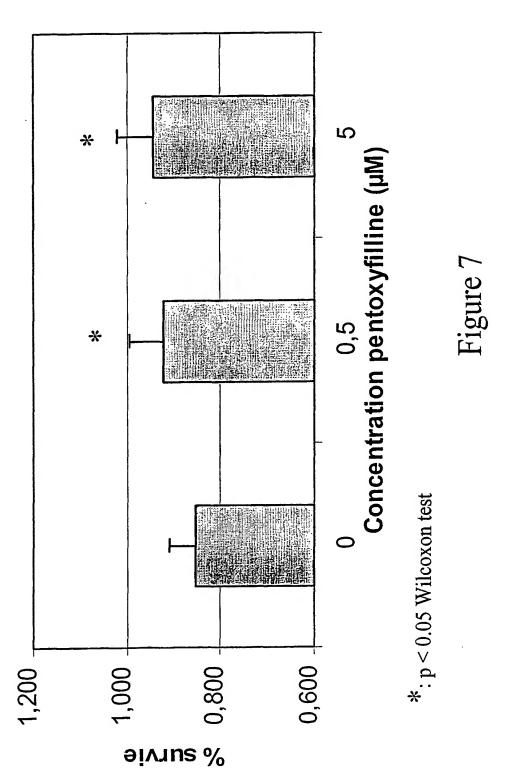
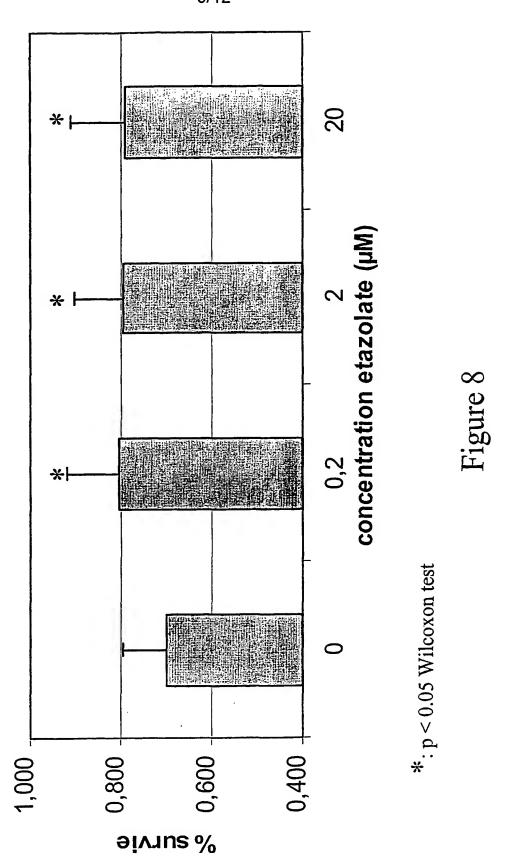


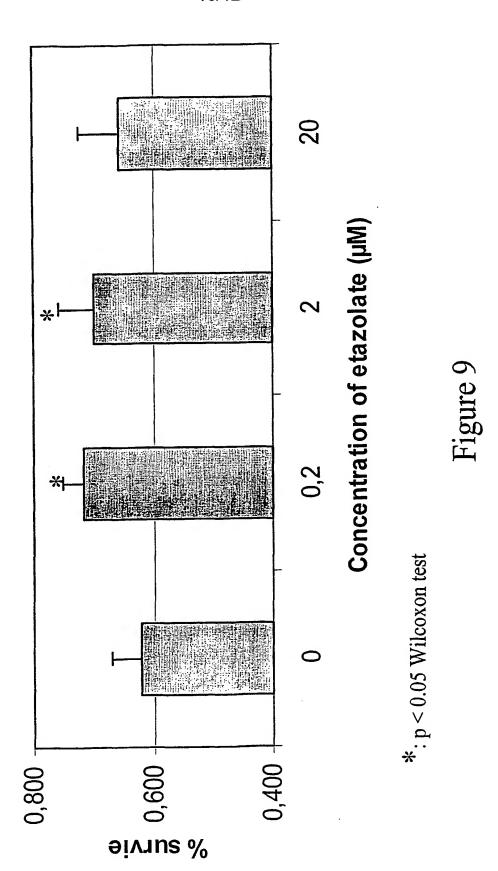
Figure 4





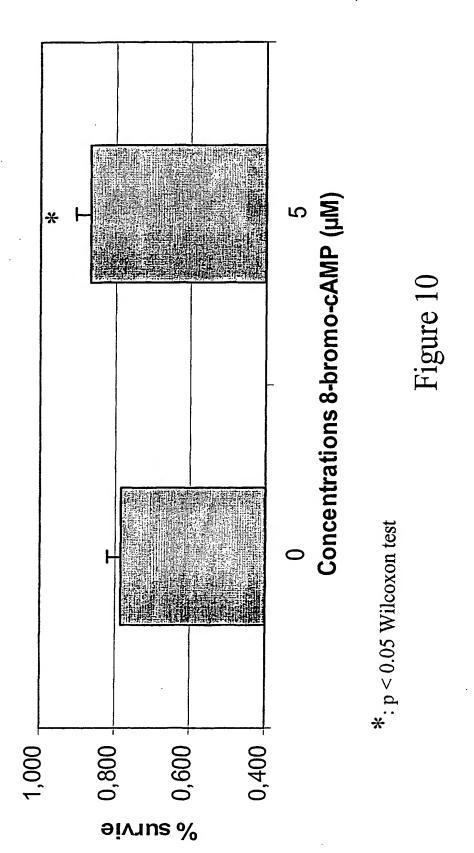




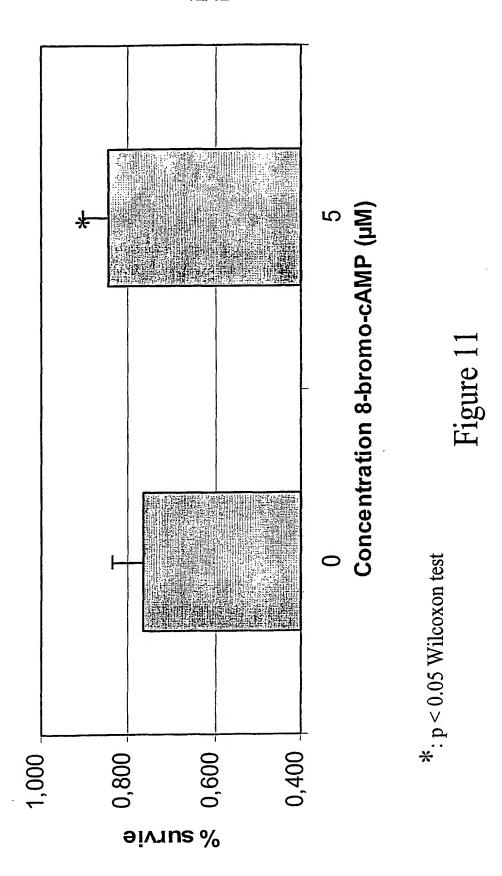


בחחכום: אונים

11/12



PCT/FR02/02861



#### LISTE DE SEQUENCES

<110> Exonhit Therapeutics <120> Nouvelle cible moleculaire de la Neurotoxicité <130> B0100WO <140> <141> <160> 10 <170> PatentIn Ver. 2.1 <210> 1 <211> 2912 <212> ADN <213> souris <220> <221> CDS <222> (218)..(2383) <400> 1 aaaggcagcc tgataaagct ccttgtgaca ggctgtcttg ccagtctccc agtatgctcc 60 tcttgctctg aagtgctcca ggattgaaac cacagcttcc caaattagcc tgggaagagt 120 gtgcggaccc agcagccttt taacccgcgt cagtgccttt gctatgttca agactgctgt 180 tttggatggt gaatgctagc tagcactcca tcgagac atg aca gca aaa aat tct 235 Met Thr Ala Lys Asn Ser 1 5 cca aaa gaa ttt act gct tcg gaa tct gag gtt tgc ata aag act ttc Pro Lys Glu Phe Thr Ala Ser Glu Ser Glu Val Cys Ile Lys Thr Phe 10 aag gag cag atg cgc ttg gaa ctt gag ctt cca aag cta cca gga aac Lys Glu Gln Met Arg Leu Glu Leu Glu Leu Pro Lys Leu Pro Gly Asn 25 30 35 aga cet aca tet eec aaa att tet eea ege agt tea eea agg aat tea 379 Arg Pro Thr Ser Pro Lys Ile Ser Pro Arg Ser Ser Pro Arg Asn Ser 40 45 50 cca tgc ttt ttc aga aag ttg ctg gtg aat aaa agc atc cga cag cgg 427

	•	nh n	Dha	7	T	T 011	T.011	val	Aen	Lys	Ser	Ile	Ara	Gln	Arg	
Pro 55	Cys	Pne	PHE	Arg	60 Eys	рец	Вси	Vul	71011	65				<b>0.1.1</b>	70	
																475
cgt	cgc	ttc	acg 	gtg	gct	cat	aca	tgc	Dho	gat	grg	gaa	aat	ggc	Pro	4/3
Arg	Arg	Phe	Thr		Ala	HIS	Thr	Cys	80	Asp	vai	Gra	MSII	85	FIO	
				75					80							
tct	cca	ggt	cgg	agc	cca	ctg	gac	cct	caa	gcc	ggc	tct	tcg	tcg	gga	523
										Ala						
			90					95					100			
							•						~~~	~~~	tor	571
										agc Ser						371
Leu	Vai	105	HIS	АТА	Ата	Pne	110	GIY	urs	561	<b>G</b>	115		0		
		103														
										ttg						619
Phe	Leu	Tyr	Asp	Leu	Asp	Ser	Asp	Tyr	Asp	Leu	Ser	Pro	Lys	Ala	Met	
	120					125					130					
			+ = =	t.c.=	ctt	CCC	agt	тап	.caa	cac	ggc	gat	σac	cta	att	667
tcc	agg	Agn	Ser	Ser	Leu	Pro	Ser	Glu	Gln	His	Gly	Asp	Asp	Leu	Ile	
135	ALG	USII	001	002	140					145	-	-	_		150	
130																
										ttg						715
Val	Thr	Pro	Phe		Gln	Val	Leu	Ala		Leu	Arg	Ser	Val		Asn	
				155					160					165		
226	++0	acc	cta	cta	acq	aac	ctt	cat	qqa	gcg	ccg	aac	aag	agg	tca	763
										Ala						
			170					175					180			
																0.1.1
										gtc						811
Pro	Ala		Ser	Gln	Ala	Pro	Val 190	ser	Arg	Val	ser	195	GIII	Giu	GIU	
		185					190					100				
tca	tat	caq	aaa	cta	gca	atg	gag	acg	ctg	gag	gaa	cta	gac	tgg	tgc	859
										Glu						
	200					205					210					
											<b>-</b>			~~~	250	907
										cgc						907
	Asp	GID	Leu	GIU	220	TTE	GIII	1111	TYL	Arg 225	261	•41	501	014	230	
215					220											
gct	tca	aac	aag	ttc	aaa	agg	atg	ctg	aac	cgg	gag	ctg	aca	cac	ctc	955
										Arg				His		
				235					240					245		
									<b>~</b> + -	+ -+	~~~	tan	att	tca	aac	1003
tca	gag	atg	agc	aga	tca	999	aac	cag	gcg	tct	yay	Lac	466	cca	uuc	7007

Ser	Glu	Met	Ser 250	Arg	Ser	Gly	Asn	Gln 255		Ser	Glu	Tyr	Ile 260		Asn	
3			_	_	-		•	Val	_					_	cag Gln	1051
_	_			•	_	_	_	_			_		_		agt Ser	1099
		_		-							aac Asn					1147
	-					_	-			_	cat His		_	_		1195
•	_	_	_								ttc Phe			_		1243
							_	_		_	tat Tyr	_			_	1291
_	_	_		_	_	_					tct Ser 370	_			_	1339
		_	_			_					tct Ser			_		1387
		_	_		-	_	_		_	-	tca Ser			_		1435
		-	_			-		-			gac Asp	Leu	_			1483
_	•				_	Ala			_	_	gat Asp				_	1531
tcc	aat	cag	ttt	ctc	atc	aat	aca	aat	tct	gaa	ctt	gct	ttg	atg	tat	1579

Ser	Asn 440	Gln	Phe	Leu	Ile	Asn 445	Thr	Asn	Ser	Glu	Leu 450	Ala	Leu	Met	Tyr	
										ctt Leu 465						1627
										cag Gln						1675
										gac Asp						1723
										gac Asp						1771
										ctc Leu						1819
										gta Val 545						1867
										cgg Arg						1915
										aaa Lys						1963
										aca Thr						2011
										•						
										cat His						2059
Ser tgg	Gln 600 gca	Val gac	Gly ctg	Phe gtt	Ile	Asp 605 ccg	Tyr gat	Ile gct	Val caa		Pro 610 att	Leu ctg	Trp gat	Glu aca	Thr	2059

Glu Asp Asn Arg Asn Trp.Tyr Gln Ser Met Ile Pro Gln Ser Pro Ser 635 640 645	
ccg cca ctg gat gag agg agc agg gac tgc caa ggc ctg atg gag aagPro Pro Leu Asp Glu Arg Ser Arg Asp Cys Gln Gly Leu Met Glu Lys650655	2203
ttt cag ttt gaa ctg acc ctt gag gaa gag gat tct gag gga ccg gaa Phe Gln Phe Glu Leu Thr Leu Glu Glu Glu Asp Ser Glu Gly Pro Glu 665 670 675	2251
aag gag gga gaa ggc cac agc tat ttc agc agc aca aag acg ctt tgt Lys Glu Gly Glu Gly His Ser Tyr Phe Ser Ser Thr Lys Thr Leu Cys 680 685 690	2299
gtg att gat cca gag aac agg gat tct ctg gaa gag act gac ata gac Val Ile Asp Pro Glu Asn Arg Asp Ser Leu Glu Glu Thr Asp Ile Asp 695 700 705 710	2347
att gca aca gaa gac aag tot ccg atc gac aca taa totototocc  Ile Ala Thr Glu Asp Lys Ser Pro Ile Asp Thr  715  720	2393
tctgtgtgga gatgaacatt ccacccttga ctgagcatgc ccgctgagtg gtagggtcac	2453
ctaccatggc caaggcctgc acaggacaaa ggccacctgg cctttccagt tacttgagtt	. 2513
tggagccaga atgccaggcc gtgaagcaaa tagcagttcc atgctgtctt gccttgcctg	2573
caagettgge ggagaeeege agetgtatgt ggtagtagag geeagtteee ateaaageta	. 2633
aaatggcttg aaaacagagg acacaaagct gagagattgc tctgcactag gtgttgggaa	. 2693
gctgtcctga cagatgactg aactcactaa caacttcatc tataaatctc accacccaac	2753
ccattgtctg ccaacctgtg tgccttttt tgtaaaatgt tttcgcgtct ttgaaatgcc	2813
tgttgaatat ctagagttta gtaccaactt ctacaaactt ttttgagtct ttcttgaaaa	2873
acaaaaaaaa aaaaaaaaa aaaaaaaaa	2912

<210> 2 <211> 721

<212> PRT

<213> souris

<400> 2

Met 1	Thr	Ala	Lys	Asn 5	Ser	Pro	Lys	Glu	Phe 10	Thr	Ala	Ser	Glu	Ser 15	Glu
	Cys	Ile	Lys 20	Thr	Phe	Lys	Glu	Gln 25	Met	Arg	Leu	Glu	Leu 30	Glu	Leu
Pro	Lys	Leu 35	Pro	Gly	Asn	Arg	Pro 40	Thr	Ser	Pro	Lys	Ile 45	Ser	Pro	Arg
	50	•				55					60	Leu			
- 65					70					75		His			80
_				85					90			Leu		95	
	_		100					105				Phe	110		
		115					120					Ser 125			
	130		_			135					140	Pro Val			
H1S	GTA	Asp	Asp	теи	150	var	III	FIO	FIIC	155	GIII	VAL	Deu	ALU	160
Leu	Arg	Ser	Val	Arg 165	Asn	Asn	Phe	Thr	Leu 170	Leu	Thr	Asn	Leu	His 175	Gly
			180					185				Pro	190		
		195					200					Met 205			
	210					215					220	Ile			
225					230					235		Arg			240
_				245					250			Gly		255	
			260					265				Asn	270		
		275					280					Lys 285			
	290					295					300	His			
Leu 305	Asn	ASN	Thr	ser	310	Ser	Arg	PHE	GTA	315	WPII	Thr	GIU	ron	320
	His	Leu	Ala	Lys 325		Leu	Glu	Asp	Leu 330		Lys	Trp	Gly	Leu 335	Asn
Ile	Phe	Asn	Val 340	Ala	Gly	Tyr	Ser	His 345	Asn	Arg	Pro	Leu	Thr 350	Cys	Ile
Met	Tyr	Ala 355	Ile	Phe	Gln	Glu	Arg 360	Asp	Leu	Leu	Lys	Thr 365	Phe	Lys	Ile
Ser	Ser 370	Asp	Thr	Phe	Val	Thr 375	Tyr	Met	Met	Thr	Leu 380	Glu	Asp	His	Tyr

His	Ser	Asp	Val	Ala	Tyr	His	Asr	Ser	Leu	His	Ala	Ala	a Asy	y Vai	l Ala
385					390					395	i				400
Gln	Ser	Thr	His	Val	Leu	Leu	Ser	Thr	Pro	Ala	Let	ı Ası	Ala	a Val	l Phe
				405					410	)				415	5
Thr	Asp	Leu	Glu	Ile	Leu	Ala	Ala	Ile	Phe	Ala	Ala	Ala	a Ile	His	asp
			420					425					430	)	
Val	Asp	His	Pro	Gly	Val	Ser	Asn	Gln	Phe	Leu	Ile	Ası	Thr	Asr	Ser
		435					440					445	5		
Glu	Leu	Ala	Leu	Met	Tyr	Asn	Asp	Glu	Ser	Val	Leu	Glu	. Asn	His	His
	450					455					460				
Leu	Ala	Val	Gly	Phe	Lys	Leu	Leu	Gln	Glu	Glu	His	Cys	Asp	Ile	Phe
465					470					475		_	_		480
Gln	Asn	Leu	Thr	Lys	Lys	Gln	Arg	Gln	Thr	Leu	Arg	Lys	Met	Val	Ile
				485	-		_		490			-		495	
Asp	Met	Val	Leu	Ala	Thr	Asp	Met	Ser	Lys	His	Met	Ser	Leu	Leu	Ala
_			500			_		505	_				510		
Asp	Leu	Lys	Thr	Met	Val	Glu	Thr	Lys	Lys	Val	Thr	Ser	Ser	Gly	Val
		515	٠				520					525			
Leu	Leu	Leu	Asp	Asn	Tyr	Thr	Asp	Arg	Ile	Gln	Val	Leu	Arg	Asn	Met
	530					535					540				
Val	His	Cys	Ala	Asp	Leu	Ser	Asn	Pro	Thr	Lys	Ser	Leu	Glu	Leu	Tyr
545					550					555					560
Arg	Gln	Trp	Thr	Asp	Arg	Ile	Met	Glu	Glu	Phe	Phe	Gln	Gln	Gly	Asp
				565					570					575	_
Lys	Glu	Arg	Glu	Arg	Gly	Met	Glu	Ile	Ser	Pro	Met	Cys	Asp	Lys	His
			580					585				_	590	_	
Thr	Ala	Ser	Val	Glu	Lys	Ser	Gln	Val	Gly	Phe	Ile	Asp	Tyr	Ile	Val
		595			_		600		_			605	_		
His	Pro	Leu	Trp	Glu	Thr	Trp	Ala	Asp	Leu	Val	Gln	Pro	Asp	Ala	Gln
	610					615		_			620		_		
Asp	Ile	Leu	Asp	Thr	Leu	Glu	Asp	Asn	Arg	Asn	Trp	Tyr	Gln	Ser	Met
625			_		630		_			635	_	_			640
Ile	Pro	Gln	Ser	Pro	Ser	Pro	Pro	Leu	Asp	Glu	Arg	Ser	Arg	Asp	Cys
				645					650		_		_	655	-
Gln	Gly	Leu	Met	Glu	Lys	Phe	Gln	Phe	Glu	Leu	Thr	Leu	Glu	Glu	Glu
			660					665					670		
Asp	Ser	Glu	Gly	Pro	Glu	Lys	Glu	Gly	Glu	Gly	His	Ser	Tyr	Phe	Ser
_		675	_			_	680	_		_		685	_		
Ser	Thr	Lys	Thr	Leu	Cys	Val	Ile	Asp	Pro	Glu	Asn	Arq	Asp	Ser	Leu
	690	-				695		-			700	_	-		
		Thr	Asp	Ile	Asp	Ile	Ala	Thr	Glu	azA		Ser	Pro	Ile	Asp
705			•		710					715	•				720
Thr															-

<210> 3 <211> 4068

<212> ADN

<213> Homo sapiens

<220>

<221> CDS

<222> (766)..(2460)

<223> PDE4B

<400> 3

gaattcotcc totottcacc cogttagotg tittcaatgt aatgetgeeg teetteettt 60
geactgeett etgegetaac acctecatte etgettataa cegtgtattt attacttaat 120
gtatataaatg taatgtittg taagttatta attaatata etaacattge etgecaatgg 180
tggtgttaaa titgtgtaga aaactetgee taagagtiac gactititet tgtaatgtit 240
tgtattgtgt attatataac ecaaacgtea ettagtagag acatatggee ecettggeag 300
agaggacagg ggtgggetti tgitcaaagg gictgeeett teeetgeetg agitgetact 360
tetgeacaac ecettatga accagtitte accegaatit tgactgitte attagaaga 420
aaagcaaaat gagaaaaage titeeteati teteettgag atggeaaage acteagaaat 480
gacatcacat accetaaaga accetgggat gactaaggea gagagagtet gagaaaacte 540
tittggtgett etgeetttag tittaggaca catitatgea gatgagetta taagagaceg 600
titeeeteege ettetteete agaggaagti tettggtaga teacegacae eteateeagg 660
cggggggttg ggggaaact tggeaceage eateecagge agagcacae tgtgattgt 720
teteetggtg gagagagetg gaaggaagga gecagegtge aaata atg aag gag cac 777
Met Lys Glu His

1

ggg ggc acc ttc agt agc acc gga atc agc ggt ggt agc ggt gac tct 825
Gly Gly Thr Phe Ser Ser Thr Gly Ile Ser Gly Gly Ser Gly Asp Ser
5 10 15 20

gct atg gac agc ctg cag ccg ctc cag cct aac tac atg cct gtg tgt 873
Ala Met Asp Ser Leu Gln Pro Leu Gln Pro Asn Tyr Met Pro Val Cys
25 30 35

ttg ttt gca gaa gaa tct tat caa aaa tta gca atg gaa acg ctg gag 921 Leu Phe Ala Glu Glu Ser Tyr Gln Lys Leu Ala Met Glu Thr Leu Glu

10 45 50

-		_	Trp	_		_	_	Leu				_	Thr		c cgg	969
	•	Ser		_	_		Asn	_			_	Met	_		cgg	1017
	Leu						_		-		Gly		_		Ser	1065
_								_	_	•		_			atc	1113
			_			_				_		aag Lys				1161
_		_		_			_	•				agt Ser 145		_		1209
			_			_			•			gaa Glu		_	-	1257
				_	-	_						ggt Gly				1305
			_						_			aca Thr	-		•	1353
	-			-	_	-	_			_		ttc Phe	-			1401
	_					Tyr	_	_			Glu	gac Asp 225				1449
Ser		_			His					Ala		gat Asp			-	1497

tea	200	cat	att	ctc	ctt	tct	aca	cca	αca	tta	gad	gct	ate	. ++	aca	1545
			_						_		_	_	-		Thr	1313
245					250					255					260	
																1503
_	_			_	_	-			-		-			_	gtt Val	1593
rop	пси	0	110	265			-20		270				0	275		
											•					
_				-											gaa	1641
Asp	His	Pro	GIY 280	Val	ser	Asn	GIn	285	Leu	TTE	Asn	Thr	Asn 290	ser	Glu	
			200					203					250			
	-	_	_			-			_						ctt	1689
Leu	Ala		Met	Tyr	Asn	Asp		Ser	Val	Leu	Glu		His	His	Leu	
		295					300					305				
gct	gtg	ggt	ttc	aaa	ctg	ctg	caa	gaa	gaa	cac	tgt	gac	atc	ttc	atg	1737
Ala	Val	Gly	Phe	Lys	Leu	Leu	Gln	Glu	Glu	His	Cys	Asp	Ile	Phe	Met	
	310					315					320					
aat	ctc	acc	ааσ	aag	caq	cat	caq	aca	ctc	agg	ааф	atq	att	att	qac	1785
			_	Lys	_	-	_				_	-	_		-	
325					330					335					340	
																1022
_	-		_	act Thr	_	_				_	_	_	_	_		1833
MCC	Val	204		345				-1-	350					355		
_	_		_	gta	-	-			-							1881
Leu	Lys	Thr	Met 360	Val	GIU	Thr	гÃ2	ьуs 365	vai	Thr	ser	ser	370	vai	Leu	
			500													
		_		tat												1929
Leu	Leu	_	Asn	Tyr	Thr	Asp	_	Ile	Gln	Val	Leu		Asn	Met	Val	
		375					380					385				
cac	tgt	gca	gac	ctg	agc	aac	ccc	acc	aag	tcc	ttg	gaa	ttg	tat	cgg	1977
His	Cys	Ala	Asp	Leu	Ser	Asn	Pro	Thr	Lys	Ser	Leu	Glu	Leu	Tyr	Arg	
	390					395					400					
caa	taa	aca	gac	cgc	atc	ato	gag	gaa	ttt	ttc	сад	cag	gga	gac	aaa	2025
				Arg												
405	-				410					415					420	
																0053
				gga Gly												2073
<del>G</del> L U	лц	JIU	27.2	425					430		J 3	<u>-</u> -	-1-	435		

gct tct gtg gaa aaa tcc cag gtt ggt ttc atc gac tac att gtc cat 2121 Ala Ser Val Glu Lys Ser Gln Val Gly Phe Ile Asp Tyr Ile Val His 440 445 450	
cca ttg tgg gag aca tgg gca gat ttg gta cag cct gat gct cag gac 2169 Pro Leu Trp Glu Thr Trp Ala Asp Leu Val Gln Pro Asp Ala Gln Asp 455 460 465	
att ctc gat acc tta gaa gat aac agg aac tgg tat cag agc atg ata 2217  Ile Leu Asp Thr Leu Glu Asp Asn Arg Asn Trp Tyr Gln Ser Met Ile  470 475 480	
cct caa agt ccc tca cca cca ctg gac gag cag aac agg gac tgc cag 2265 Pro Gln Ser Pro Ser Pro Pro Leu Asp Glu Gln Asn Arg Asp Cys Gln 485 490 495 500	
ggt ctg atg gag aag ttt cag ttt gaa ctg act ctc gat gag gaa gat 2313 Gly Leu Met Glu Lys Phe Gln Phe Glu Leu Thr Leu Asp Glu Glu Asp 505 510 515	
tct gaa gga cct gag aag gag gga gag gga cac agc tat ttc agc agc 2361 Ser Glu Gly Pro Glu Lys Glu Gly Glu Gly His Ser Tyr Phe Ser Ser 520 525 530	
aca aag acg ctt tgt gtg att gat cca gaa aac aga gat tcc ctg gga 2409 Thr Lys Thr Leu Cys Val Ile Asp Pro Glu Asn Arg Asp Ser Leu Gly 535 540 545	
gag act gac ata gac att gca aca gaa gac aag tcc ccc gtg gat aca 2457 Glu Thr Asp Ile Asp Ile Ala Thr Glu Asp Lys Ser Pro Val Asp Thr 550 560	
taa tececetete eetgtggaga tgaacattet ateettgatg ageatgecag 2510	
565	
ctatgtggta gggccagccc accatggggg ccaagacctg cacaggacaa gggccacctg 2570	
gcctttcagt tacttgagtt tggagtcaga aagcaagacc aggaagcaaa tagcagctca 2630	
ggaaatccca cggttgactt gccttgatgg caagcttggt ggagagggct gaagctgttg 2690	
ctgggggccg attctgatca agacacatgg cttgaaaatg gaagacacaa aactgagaga 2750	
tcattctgca ctaagtttcg ggaacttatc cccgacagtg actgaactca ctgactaata 2810	
acticatita tgaatcitci cactigicce titgicigce aaccigigig cettititigi 2870	

aaaacatttt catgtcttta aaatgcctgt tgaatacctg gagtttagta tcaacttcta 2930 cacagataag ctttcaaagt tgacaaactt ttttgactct ttctggaaaa gggaaagaaa 2990 atagtettee ttettettg ggcaatatee tteaetttae tacagttaet tttgcaaaca 3050 gacagaaagg atacacttct aaccacattt tacttccttc ccctgttgtc cagtccaact 3110 ccacagtcac tettaaaact tetetetgtt tgcctgcete caacagtact tttaactttt 3170 tgctgtaaac agaataaaat tgaacaaatt agggggtaga aaggagcagt ggtgtcgttc 3230 acceptgagag tetgeataga acteageagt gtgeeetget gtgtettgga eeetgeeece 3290 cacaqqaqtt gctacagtcc ctggccctgc ttcccatcct cctctcttca ccccgttagc 3350 tgttttcaat gtaatgctgc cgtccttctc ttgcactgcc ttctgcgcta acacctccat 3410 tcctgtttat aaccgtgtat ttattactta atgtatataa tgtaatgttt tgtaagttat 3470 taatttatat atctaacatt geetgeeaat ggtggtgtta aatttgtgta gaaaactetg 3530 cctaaqagtt acgacttttt cttgtaatgt tttgtattgt gtattatata acccaaacgt 3590 cacttagtag agacatatgg cccccttggc agagaggaca ggggtgggct tttgttcaaa 3650 qqqtctgccc tttccctgcc tgagttgcta cttctgcaca acccctttat gaaccagttt 3710 tggaaacaat attctcacat tagatactaa atggtttata ctgagtcttt tacttttgta 3770 tagcttgata ggggcagggg caatgggatg tagtttttac ccaggttcta tccaaatcta 3830 tgtgggcatg agttgggtta taactggatc ctactatcat tgtggctttg gttcaaaagg 3890 aaacactaca tttgctcaca gatgattctt ctgattcttc tgaatgctcc cgaactactg 3950 actttqaaqa ggtagcctcc tgcctgccat taagcaggaa tgtcatgttc cagttcatta 4010 

<400> 4

<sup>&</sup>lt;210> 4

<sup>&</sup>lt;211> 564

<sup>&</sup>lt;212> PRT

<sup>&</sup>lt;213> Homo sapiens

Met Lys Glu His Gly Gly Thr Phe Ser Ser Thr Gly Ile Ser Gly Gly 10 Ser Gly Asp Ser Ala Met Asp Ser Leu Gln Pro Leu Gln Pro Asn Tyr 20 25 Met Pro Val Cys Leu Phe Ala Glu Glu Ser Tyr Gln Lys Leu Ala Met 40 Glu Thr Leu Glu Glu Leu Asp Trp Cys Leu Asp Gln Leu Glu Thr Ile 55 Gln Thr Tyr Arg Ser Val Ser Glu Met Ala Ser Asn Lys Phe Lys Arg 70 75 Met Leu Asn Arg Glu Leu Thr His Leu Ser Glu Met Ser Arg Ser Gly 90 Asn Gln Val Ser Glu Tyr Ile Ser Asn Thr Phe Leu Asp Lys Gln Asn 105 Asp Val Glu Ile Pro Ser Pro Thr Gln Lys Asp Arg Glu Lys Lys Lys 120 Lys Gln Gln Leu Met Thr Gln Ile Ser Gly Val Lys Lys Leu Met His Ser Ser Ser Leu Asn Asn Thr Ser Ile Ser Arg Phe Gly Val Asn Thr 155 150 Glu Asn Glu Asp His Leu Ala Lys Glu Leu Glu Asp Leu Asn Lys Trp 170 165 Gly Leu Asn Ile Phe Asn Val Ala Gly Tyr Ser His Asn Arg Pro Leu Thr Cys Ile Met Tyr Ala Ile Phe Gln Glu Arg Asp Leu Leu Lys Thr 200 Phe Arg Ile Ser Ser Asp Thr Phe Ile Thr Tyr Met Met Thr Leu Glu Asp His Tyr His Ser Asp Val Ala Tyr His Asn Ser Leu His Ala Ala 230 235 Asp Val Ala Gln Ser Thr His Val Leu Leu Ser Thr Pro Ala Leu Asp 250 245 Ala Val Phe Thr Asp Leu Glu Ile Leu Ala Ala Ile Phe Ala Ala Ala 265 Ile His Asp Val Asp His Pro Gly Val Ser Asn Gln Phe Leu Ile Asn 280 Thr Asn Ser Glu Leu Ala Leu Met Tyr Asn Asp Glu Ser Val Leu Glu 295 Asn His His Leu Ala Val Gly Phe Lys Leu Leu Gln Glu His Cys 310 315 Asp Ile Phe Met Asn Leu Thr Lys Lys Gln Arg Gln Thr Leu Arg Lys 325 330 Met Val Ile Asp Met Val Leu Ala Thr Asp Met Ser Lys His Met Ser Leu Leu Ala Asp Leu Lys Thr Met Val Glu Thr Lys Lys Val Thr Ser 360 Ser Gly Val Leu Leu Leu Asp Asn Tyr Thr Asp Arg Ile Gln Val Leu 370 375 380

```
Arg Asn Met Val His Cys Ala Asp Leu Ser Asn Pro Thr Lys Ser Leu
                                        395
                    390
Glu Leu Tyr Arg Gln Trp Thr Asp Arg Ile Met Glu Glu Phe Phe Gln
                                    410
                405
Gln Gly Asp Lys Glu Arg Glu Arg Gly Met Glu Ile Ser Pro Met Cys
                                425
Asp Lys His Thr Ala Ser Val Glu Lys Ser Gln Val Gly Phe Ile Asp
                            440
Tyr Ile Val His Pro Leu Trp Glu Thr Trp Ala Asp Leu Val Gln Pro
                       455
Asp Ala Gln Asp Ile Leu Asp Thr Leu Glu Asp Asn Arg Asn Trp Tyr
                                        475
                    470
Gln Ser Met Ile Pro Gln Ser Pro Ser Pro Pro Leu Asp Glu Gln Asn
                                    490
                485
Arg Asp Cys Gln Gly Leu Met Glu Lys Phe Gln Phe Glu Leu Thr Leu
                                505
            500
Asp Glu Glu Asp Ser Glu Gly Pro Glu Lys Glu Gly Glu Gly His Ser
                            520
Tyr Phe Ser Ser Thr Lys Thr Leu Cys Val Ile Asp Pro Glu Asn Arg
                        535
Asp Ser Leu Gly Glu Thr Asp Ile Asp Ile Ala Thr Glu Asp Lys Ser
                    550
                                        555
Pro Val Asp Thr
<210> 5
<211> 20
<212> ADN
<213> Séquence artificielle
<220>
<223> Description de la séquence artificielle: amorce
<400> 5
                                                                   20
gccaggccgt gaagcaaata
<210> б
<211> 18
```

<220>

<212> ADN

<223> Description de la séquence artificielle: amorce

<400> 6 tcaaagacgc gaaaacat

<213> Séquence artificielle

```
<210> 7
 <211> 21
 <212> ADN
 <213> Séquence artificielle
 <220>
 <223> Description de la séquence artificielle: amorce
 <400> 7
                                                                      21
 ccgcgtcagt gcctttgcta t
 <210> 8
 <211> 23
 <212> ADN
 <213> Séquence artificielle
 <220>
 <223> Description de la séquence artificielle: amorce
 <400> 8
                                                                     23
 cgctgtcgga tgcttttatt cac
 <210> 9
 <211> 19
 <212> ADN
 <213> Séquence artificielle
 <220>
 <223> Description de la séquence artificielle: amorce
 <400> 9
                                                                     19
 tcgctttctg gagggtgtc
 <210> 10
 <211> 18
 <212> ADN
 <213> Séquence artificielle
<223> Description de la séquence artificielle: amorce
 <400> 10
                                                                     18
 ccgcagggc agcagtgg
```

#### (12) DEMANDE INTERNATIONALE PUBLIÉE EN VERTU DU TRAITÉ DE COOPÉRATION EN MATIÈRE DE BREVETS (PCT)

#### (19) Organisation Mondiale de la Propriété Intellectuelle

Bureau international



## 

(43) Date de la publication internationale 27 février 2003 (27.02.2003)

PCT

## (10) Numéro de publication internationale WO 2003/016563 A3

- (51) Classification internationale des brevets<sup>7</sup> : C12Q 1/68, C12N 9/16
- (21) Numéro de la demande internationale : PCT/FR2002/002861
- (22) Date de dépôt international: 13 août 2002 (13.08.2002)
- (25) Langue de dépôt :

français

(26) Langue de publication:

français

(30) Données relatives à la priorité : 01/10819 14 août 2001 (14.08.2001) FR

(63) Apparenté(e) par continuation (CON) ou par continuation partielle (CIP) à une demande antérieure :

Déposée le

US

09/983,754 (CIP) Non communiquée

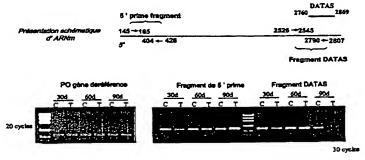
- (71) Déposant (pour tous les États désignés sauf US): EX-ONHIT THERAPEUTICS SA [FR/FR]; 26, rue Brunel, F-75017 Paris (FR).
- (72) Inventeurs; et
- (75) Inventeurs/Déposants (pour US seulement): AÎT IKHLEF, Ali [FR/FR]; 1, rue de 1-Eglise, 91940 Gometz Le Châtel (FR). RESINK, Annelies [NL/FR]; 48, rue Bobillot, F-75013 Paris (FR). SCHWEIGHOFFER, Fabien [FR/FR]; 38, avenue Paul Déroulède, F-94300 Vincennes (FR).
- (74) Mandataires: BECKER, Philippe etc.; Cabinet Becker et Associés, 35, rue des Mathurins, F-75008 Paris (FR).
- (81) États désignés (national): AE, AG, AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DK, DM, DZ, EC, EE, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, HR, HU, ID, IL, IN, IS. JP, KE, KG, KP, KR, KZ, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LV, MA, MD, MG, MK, MN, MW, MX, MZ, NO, NZ, OM, PH, PL, PT, RO, RU, SD, SE, SG, SI,

[Suite sur la page suivante]

(54) Title: NOVEL MOLECULAR TARGET FOR NEUROTOXICITY

(54) Titre: CIBLE MOLECULAIRE DE LA NEUROTOXICITE

## Analyse d'expression d'isoforme de PDE4B dans le cerveau par PCR semi-quantitative



A

ANALYSE ... :- ANALYSIS OF EXPRESSION OF POE4B ISOFORMS IN THE

BRAIN BY SEMI-QUANTITATIVE PCR

PRÉSENTATION SCHÉMATIQUE ...: - SCHEMATIC ARNM REPRESENTATION

PO GÉNE :- PO REFERENCE GENE

FRAGMENT DE 5' PRIME: - 5' PRIME FRAGMENT

PRAGMENT CATAS: - DATAS FRAGMENT

RESTE IDEM

(57) Abstract: The invention relates to the field of biology, genetics and medicine and to novel methods of detecting, characterising and/or treating (or managing) neurodegenerative pathologies, particularly amyotrophic lateral sclerosis. Said invention also relates to methods of identifying or screening active compounds in said pathologies. Moreover, the invention relates to compounds, genes, cells, plasmids or compositions that can be used to carry out the above-mentioned methods. In particular, the invention outlines the role of PDE4B in said pathologies and the use thereof as a therapeutic, diagnostic or experimental target.

[Suite sur la page suivante]

SK, SL, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ, VC, VN, YU, ZA, ZM, ZW.

(84) États désignés (régional): brevet ARIPO (GH, GM, KE, LS, MW, MZ, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), brevet eurasien (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), brevet européen (AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE, SK, TR), brevet OAPI (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG).

#### Déclaration en vertu de la règle 4.17 :

 relative à la qualité d'inventeur (règle 4.17.iv)) pour US seulement

#### Publiée:

- avec rapport de recherche internationale
- (88) Date de publication du rapport de recherche internationale: 1 avril 2004

En ce qui concerne les codes à deux lettres et autres abréviations, se référer aux "Notes explicatives relatives aux codes et abréviations" figurant au début de chaque numéro ordinaire de la Gazette du PCT.

(57) Abrégé: La présente invention concerne le domaine de la biologie, de la génétique et de la médecine. Elle concerne notamment de nouvelles méthodes pour la détection, la caractérisation et/ou le traitement (ou la prise en charge) de pathologies neurodégénératives, notamment de la sclérose latérale amyotrophique. L'invention concerne également des méthodes pour l'identification ou le screening de composés actifs dans ces pathologies. L'invention concerne également les composés, gènes, cellules, plasmides ou compositions utiles pour la mise en oeuvre des méthodes ci-dessus. L'invention décrit notamment le rôle de PDE4B dans ces pathologies et son utilisation comme cible thérapeutique, diagnostique ou expérimentale.

#### INTERNATIONAL SEARCH REPORT

Internation No PCT/FR 02/02861

A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER
IPC 7 C12Q1/68 C12N9/16

C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

XP002248838 abstract

According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC

#### **B. FIELDS SEARCHED**

Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols) IPC 7 C12Q C12N

Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched

Electronic data base consulted during the International search (name of data base and, where practical, search terms used)

SEQUENCE SEARCH, MEDLINE, EPO-Internal, EMBL

ebi; 23 December 1999 (1999-12-23)

Category °	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
*X	CHERRY J A ET AL: "Diazepam and rolipram differentially inhibit cyclic AMP-specific phosphodiesterases PDE4A1 and PDE4B3 in the mouse" BIOCHIMICA ET BIOPHYSICA ACTA. GENE STRUCTURE AND EXPRESSION, ELSEVIER, AMSTERDAM, NL, vol. 1518, no. 1-2, 19 March 2001 (2001-03-19), pages 27-35, XP004275852 ISSN: 0167-4781 page 27 -page 28, left-hand column; figures 1,3,4; table 1 & DATABASE EMBL 'Online!	1,6,8,17

	,
Further documents are listed in the continuation of box C.	Patent family members are listed in annex.
A document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance  E earlier document but published on or after the international filing date  L document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)  O document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means  P document published prior to the international fliing date but later than the priority date claimed	<ul> <li>'T' later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but clied to understand the principle or theory underlying the invention</li> <li>'X' document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone</li> <li>'Y' document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art.</li> <li>'&amp;' document member of the same patent family</li> </ul>
Date of the actual completion of the international search	Date of malling of the International search report
24 July 2003	31/07/2003
Name and mailing address of the ISA  European Patent Office, P.B. 5818 Patentlaan 2  NL - 2280 HV Rijswijk  Tel. (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo ni,  Fax: (+31-70) 340-3016	van Klompenburg, W

Form PCT/ISA/210 (second sheet) (July 1992)

#### ' INTERNATIONAL SEARCH REPORT

Internation Application No PCT/FR 02/02861

Continu	etion) DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT	PCT/FR 02/02861
Category *	Citation of document, with Indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
x	US 5 977 305 A (COLICELLI JOHN J ET AL) 2 November 1999 (1999-11-02) SEQ ID NOs: 23,24 & 58 column 3, line 41 -column 6, line 3 column 7, line 40 -column 9, line 35 column 10, line 38 -column 11, line 21 examples 5,11	1-6,8, 18,19
(	WO 00 40714 A (ARROW AMY ;OLIGOS ETC INC (US); THOMPSON TERRY (US); DALE RODERIC) 13 July 2000 (2000-07-13) page 1, line 1 -page 4, line 25; claims 1-11	6-8
(	MISHRA S K ET AL: "CALCIUM CALMODULIN AND 3' 5' CYCLIC NUCLEOTIDE PHOSPHODIESTERASE ACTIVITY IN HUMAN MUSCULAR DISORDERS" JOURNAL OF THE NEUROLOGICAL SCIENCES, vol. 109, no. 2, June 1992 (1992-06), pages 215-218, XP001064869 ISSN: 0022-510X abstract; table 1	
	US 5 851 784 A (PERRY MARTIN JOHN ET AL) 22 December 1998 (1998-12-22) column 1, line 16 -column 6, line 13	1-19
	WO 01 44449 A (UNIV UTAH RES FOUND ;BOLGER GRAEME (US)) 21 June 2001 (2001-06-21) SEQ ID NO: 11 page 7, line 7 -page 8, line 24; claims 1-18; example 1	1-19
	US 6 060 501 A (GRAF HERMANN ET AL) 9 May 2000 (2000-05-09) column 4, line 29 - line 65	1-19
	PRICE D L ET AL: "AMYOTROPHIC LATERAL SCLEROSIS AND ALZHEIMER'S DISEASE LESSONS FROM MODEL SYSTEMS" REVUE NEUROLOGIQUE, MASSON, PARIS, FR, vol. 153, no. 8/9, September 1997 (1997-09), pages 484-495, XP000982876 ISSN: 0035-3787 abstract page 486 -page 488, left-hand column	1-19
	-	

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

in mation on patent family members

PCT/FR 02/02861

Patent document cited in search report		Publication date		Patent family member(s)	Publication date
US 5977305	A	02-11-1999	US	6100025 A	08-08-2000
			US	5527896 A	18-06-1996
			US	6080540 A	27-06-2000
			US	6069240 A	30-05-2000
			AT	204603 T	15-09-2001
			CA	2080920 A1	21-10-1991
			DE	69132701.D1	27-09-2001
			DE	69132701 T2	20-06-2002
			DK	666314 T3	10-12-2001
			EP	0537173 A1	
					21-04-1993
			EP	0666314 A1	09-08-1995
			EP	0940469 A2	08-09-1999
			ES	2165397 T3	16-03-2002
			HK	1013314 A1	10-05-2002
			JP	11253200 A	21-09-1999
			JP	3258635 B2	18-02-2002
			JP	11239481 A	07-09-1999
			JP	5507196 T	21-10-1993
			WO	9116457 A1	31-10-1991
			US	6569617 B1	27-05-2003
WO 0040714	Α	13-07-2000	AU	2480800 A	24-07-2000
			CA	2357950 A1	13-07-2000
			ĒΡ	1141278 A2	10-10-2001
			JP	2002534086 T	15-10-2002
			US	2003045490 A1	06-03-2003
			WO	0040714 A2	13-07-2000
US 5851784	Α	22-12-1998	AU	4270596 A	19-07-1996
•		_	CA	2182946 A1	04-07-1996
			ΕP	0746619 A1	11-12-1996
			WO	9620281 A1	04-07-1996
			GB	2301363 A ,B	
			JP	9509851 T	07-10-1997
			US	6291199 B1	18-09-2001
UO 0144440		21 06 2001	A!!	2422001 4	25 06 0001
WO 0144449	Α	21-06-2001	AU WO	2433001 A 0144449 A1	25-06-2001 21-06-2001
US 6060501	Α	09-05-2000	AU	699085 B2	19-11-1998
			AU	2266295 A	16-11-1995
•			CA	2188269 A1	02-11-1995
			EP	0758233 A1	19-02-1997
			WO	9528926 A1	02-11-1995
			JP	2001508020 T	19-06-2001

#### RAPPORT DE RECHERCHE INTERNATIONALE

Demando Internationale No PCT/FR 02/02861

A CLASSEMENT DE L'OBJET DE LA DEMANDE CIB 7 C12Q1/68 C12N9/16

Selon la classification internationale des brevets (CIB) ou à la fois selon la classification nationale et la CIB

B. DOMAINES SUR LESQUELS LA RECHERCHE A PORTE

Documentation minimale consultée (système do classification suivi des symboles de classement) C1B 7 C12Q C12N

Documentation consultée autre que la documentation minimale dans la mesure où cos documents relèvent des domaines sur lesquels a porté la recherche

Base de données électronique consultée au cours de la recherche internationale (nom de la base de données, et si réalisable, termes de recherche utilisés)
EPO-Internal, Sequence Search, MEDLINE, EMBL

Caldania	Identification des documents cités, evec, le cas échéant, l'Indication des passages pertinents	no, des revendications visées
Catégorie °	IDENTIFICATION CRES COLUMN TO CLEAR, IN CAST CONCANT TO CLEAR TO C	
X	CHERRY J A ET AL: "Diazepam and rolipram differentially inhibit cyclic AMP-specific phosphodiesterases PDE4A1 and PDE4B3 in the mouse" BIOCHIMICA ET BIOPHYSICA ACTA. GENE STRUCTURE AND EXPRESSION, ELSEVIER, AMSTERDAM, NL, vol. 1518, no. 1-2, 19 mars 2001 (2001-03-19), pages 27-35, XP004275852 ISSN: 0167-4781 page 27 - page 28, colonne de gauche; figures 1,3,4; tableau 1 & DATABASE EMBL ebi; 23 décembre 1999 (1999-12-23), XP002248838 abrégé	1,6,8,17

X Voir la suite du cadre C pour la fin de la liste des documents	Les documents de tamilles de brevets sont indiqués en annexe
"A" document définissant l'état général de la technique, non considéré comme particulièrement portinent.  "E" document antérieur, mais publié à la date de dépôt international ou après cette date.  "L" document pouvant jeur un doute sur une revendication de priorité ou cité pour déterminer la date de publication d'une autre citation ou pour une raison spéciale (tolle qu'indiquée).  "O" document se rélérant à une divulgation orale, à un usage, à une exposition ou tous autres moyens.	document ultérieur publié après la date de dépôt international ou la date de priorité at n'appartenenant pas à l'état de la tochnique perlinent, mais cité pour comprendre le principe ou la théone constituant la base de l'invention  Comment particulièrement perdinent; finven flon revendiquée ne peut ôtre considérée comme nouvelle ou comme impliquant une activité inventive par rapport au document considéré isolément  Comment particulièrement perdinent; finven tion revendiquée ne peut être considérée comme nouvelle ou comme impliquant une activité inventive lorsque le document sat associés à un ou plusieurs autres documents de même nature, cette combinaison étant évidente pour une personne du môtier  Comment qui fait partie de la même famille de brovots
Date à lequelle la recherche internationale a été effectivement achovéo  14 janvier 2004	Date d'expédition du présent repport de recherche Intornationale  3 1 67 2003
Nom et adresse postale de l'administration chargée de la recherche Internationale Office Européen des Brovots, P.B. 5818 Patentiaan 2 NL - 2280 HV Rijswijk Tet. (+31-70) 340-2040, Tx. 31 851 epo nl, Fax: (+31-70) 340-3016	van Klompenburg, W

## RAPPORT DE RECHERCHE INTERNATIONALE

PCT/FR 02/02861

C (gutta) D	OCUMENTS CONSIDERES COMME PERTINENTS	R 02/02861
Calógorie °	be an debtage libertage day paregraps engineers	no, des revendications visées
х	US 5 977 305 A (COLICELLI JOHN J ET AL) 2 novembre 1999 (1999-11-02) SEQ ID NOs: 23,24 & 58 colonne 3, ligne 41 - colonne 6, ligne 3 colonne 7, ligne 40 - colonne 9, ligne 35 colonne 10, ligne 38 - colonne 11, ligne 21 exemples 5,11	1-6,8, 18,19
×	WO 00/40714 A (ARROW AMY ;OLIGOS ETC INC (US); THOMPSON TERRY (US); DALE RODERIC) 13 juillet 2000 (2000-07-13) page 1, ligne 1 - page 4, ligne 25; revendications 1-11	6-8
x	MISHRA S K ET AL: "CALCIUM CALMODULIN AND 3' 5' CYCLIC NUCLEOTIDE PHOSPHODIESTERASE ACTIVITY IN HUMAN MUSCULAR DISORDERS" JOURNAL OF THE NEUROLOGICAL SCIENCES, vol. 109, no. 2, juin 1992 (1992-06), pages 215-218, XP001064869 ISSN: 0022-510X abrégé; tableau 1	1
A	US 5 851 784 A (PERRY MARTIN JOHN ET AL) 22 décembre 1998 (1998-12-22) colonne 1, ligne 16 - colonne 6, ligne 13	1-19
A	WO 01/044449 A (UNIV UTAH RES FOUND; BOLGER GRAEME (US)) 21 juin 2001 (2001-06-21) SEQ ID NO: 11 page 7, ligne 7 - page 8, ligne 24; revendications 1-18; exemple 1	1-19
A	US 6 060 501 A (GRAF HERMANN ET AL) 9 mai 2000 (2000-05-09) colonne 4, ligne 29 - ligne 65	1-19
A	PRICE D L ET AL: "AMYOTROPHIC LATERAL SCLEROSIS AND ALZHEIMER'S DISEASE LESSONS FROM MODEL SYSTEMS" REVUE NEUROLOGIQUE, MASSON, PARIS, FR, vol. 153, no. 8/9, septembre 1997 (1997-09), pages 484-495, XP000982876 ISSN: 0035-3787 abrégé page 486 - page 488, colonne de gauche	1-19

## RAPPORT DE RECHERCHE INTERNATIONALE

Renselgnoments relatifs aux membres de familles de brovets

Demando Internationale No PCT/FR 02/02861

Document brevet cité au rapport de recherche		Date de publication		Membre(s) de la famille de brevet(s)	Date de publication
US 5977305	A	02-11-1999	USSUST ACE DE EPPSKPPPPOS	6100025 A 5527896 A 6080540 A 6069240 A 204603 T 2080920 A1 69132701 D1 69132701 T2 666314 T3 0537173 A1 0666314 A1 0940469 A2 2165397 T3 1013314 A1 11253200 A 3258635 B2 11239481 A 5507196 T 9116457 A1 6569617 B1	08-08-2000 18-06-1996 27-06-2000 30-05-2000 15-09-2001 21-10-1991 27-09-2001 20-06-2002 10-12-2001 21-04-1993 09-08-1999 16-03-2002 10-05-2002 21-09-1999 18-02-2002 07-09-1999 21-10-1993 31-10-1991 27-05-2003
WO 0040714	A	13-07-2000	AU CA EP JP US WO	2480800 A 2357950 A1 1141278 A2 2002534086 T 2003045490 A1 0040714 A2	24-07-2000 13-07-2000 10-10-2001 15-10-2002 06-03-2003 13-07-2000
US 5851784	A	22-12-1998	AU CA EP WO GB JP US	4270596 A 2182946 A1 0746619 A1 9620281 A1 2301363 A ,B 9509851 T 6291199 B1	19-07-1996 04-07-1996 11-12-1996 04-07-1996 04-12-1996 07-10-1997 18-09-2001
WO 0144449	A	21-06-2001	UA WO	2433001 A 0144449 A1	25-06-2001 21-06-2001
US 6060501	Α	09-05-2000	AT AU CA DE EP EP JP	255413 T 699085 B2 2266295 A 2188269 A1 69532238 D1 1380291 A1 0758233 A1 9528926 A1 2001508020 T	15-12-2003 19-11-1998 16-11-1995 02-11-1995 15-01-2004 14-01-2004 19-02-1997 02-11-1995

Formulaire PCT/ISA/210 (annexe tamilles de prevets) (juillet 1992)

# This Page is Inserted by IFW Indexing and Scanning Operations and is not part of the Official Record

### **BEST AVAILABLE IMAGES**

Defective images within this document are accurate representations of the original documents submitted by the applicant.

Defects in the images include but are not limited to the items checked:
☐ BLACK BORDERS
☐ IMAGE CUT OFF AT TOP, BOTTOM OR SIDES
☐ FADED TEXT OR DRAWING
BLURRED OR ILLEGIBLE TEXT OR DRAWING
☐ SKEWED/SLANTED IMAGES
☐ COLOR OR BLACK AND WHITE PHOTOGRAPHS
☐ GRAY SCALE DOCUMENTS
☐ LINES OR MARKS ON ORIGINAL DOCUMENT
☐ REFERENCE(S) OR EXHIBIT(S) SUBMITTED ARE POOR QUALITY

## IMAGES ARE BEST AVAILABLE COPY.

**□** OTHER:

As rescanning these documents will not correct the image problems checked, please do not report these problems to the IFW Image Problem Mailbox.